

8 èmes JNI, Dijon, 13-15.06.2007

Spectrométrie de masse et identification des micro-organismes

Gilles PREVOST*, avec les contributions de :

*Wardi Moussaoui , Philippe Riegel, Jean-Michel Scheftel : Bactériologie EA-3432, ULP-HUS Strasbourg
François Delalande, Sarah Sanglier, Angela Gonzalez, Alain van Dorsselaer : UMR-7178 – CNRS-ULP, Strasbourg*

* 3 rue Koeberlé, 67000 Strasbourg, 03 90 24 37 57, gilles.prevost@medecine.u-strasbg.fr

Enjeux et spécificité de l'identification microbienne

Enjeux I : Etiquetage rapide et précis des infections

Soin du patient, contrôle des épidémies, épidémo-vigilance
Choix de l'antibiogramme / antibiothérapie

Spécificité : Biodiversité des microorganismes

- grande variété des tests = identifications
- activité très spécialisée

Enjeux II : Rationalisation des coûts d'hospitalisation

**de revient des analyses
des personnels
de l'espace d'analyse !**



AUTOMATISATIONS ??

Automatisations : Principes et Limites

Prélèvements diagnostiques

... PCR (ARN 16S/18S/ 23S/ 28S)

... Puces à ADN

Primocultures

API®

Car. Biochimiques

Spectroscopie infrarouge

Méth. Fluorimétriques

PCR (ARN 16S/18S/ 23S/ 28S)

Puces à ADN

SM : MALDI-TOF

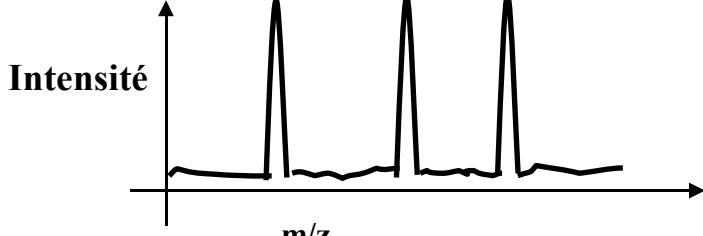
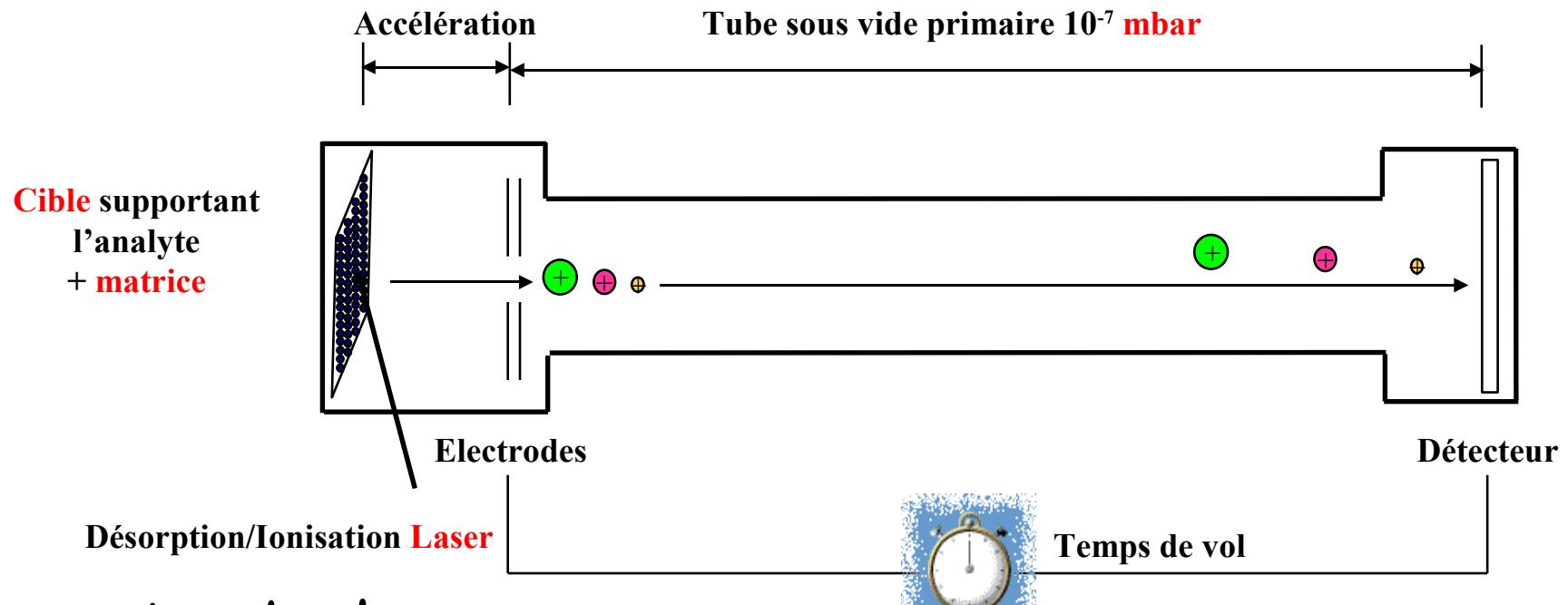
Rap. Se. Sp. Univ. Deb. Coût

+/-	+/-	++	++	++	-
+/-	+/-	+++	++	++	--

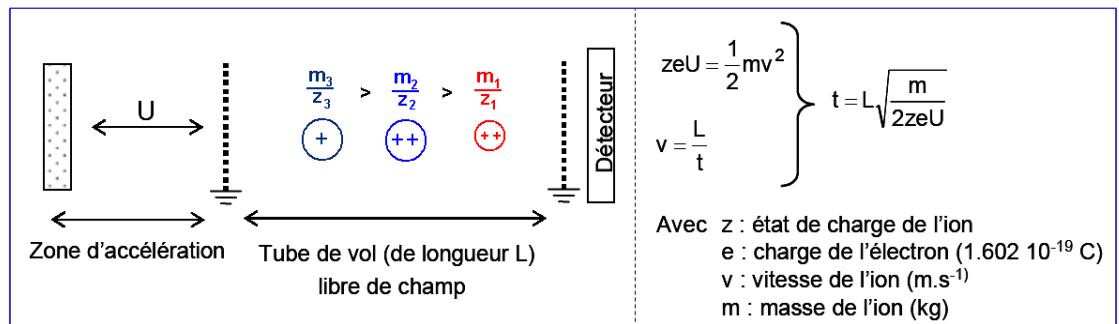
+/-	++	++	+/-	+	+
++	+	+	+	+	+
+	?	+/-	+	?	+
+/-	+	++	+/-	+/-	-/+
+/-	+/-	++	++	++	-
+/-	+/-	+++	++	++	--
+++	++	++	++	++	++

À démontrer !

Spectrométrie de Masse

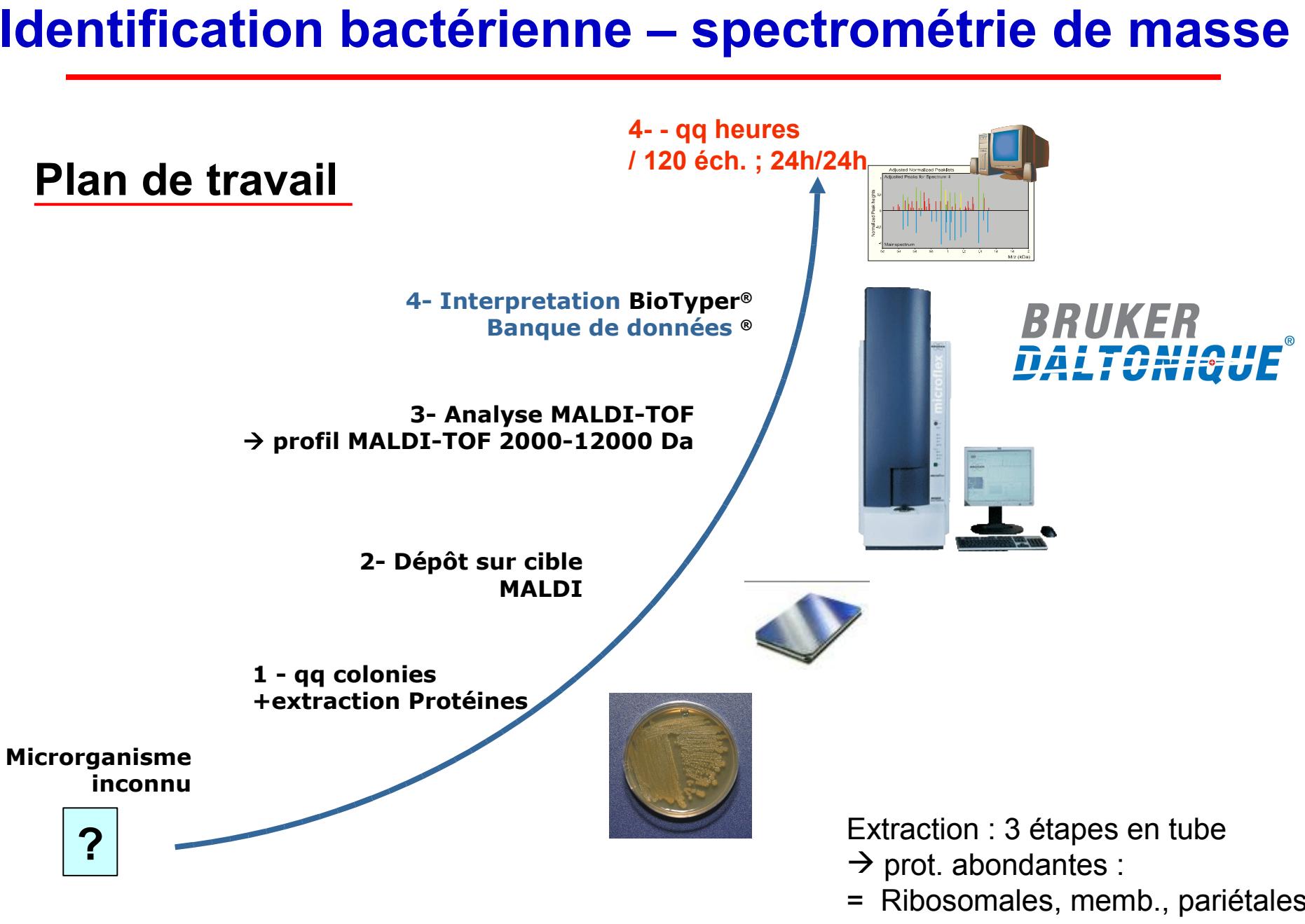


Adapté de: Lottspeich, Zorbas, eds
“Bioanalytik”, Spektrum Akademischer Verlag, 1998



Identification bactérienne – spectrométrie de masse

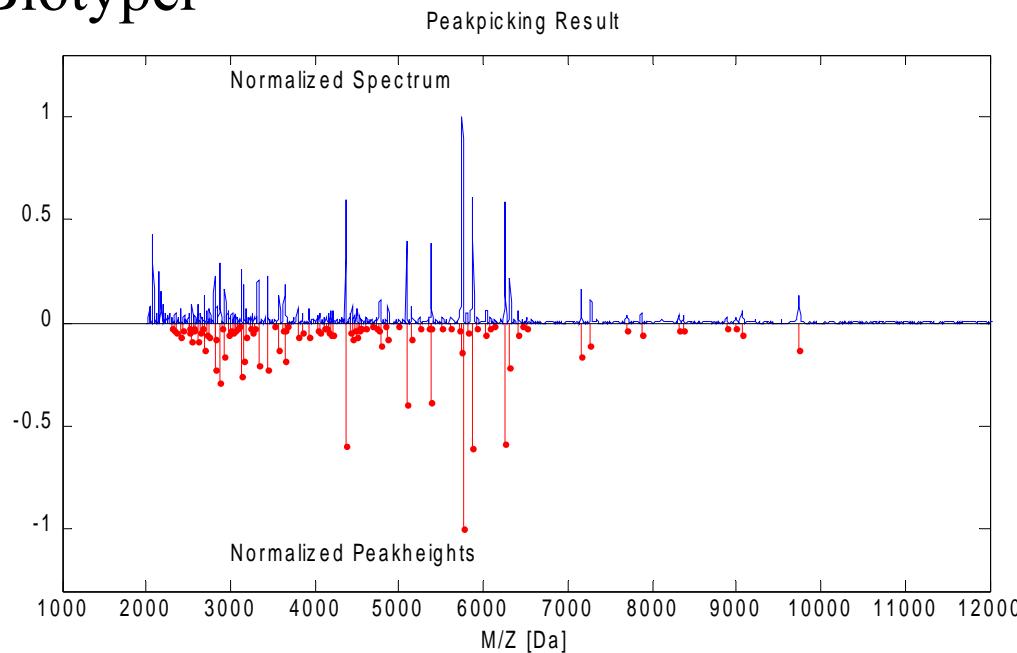
Plan de travail



Acquisition – analyse des spectres

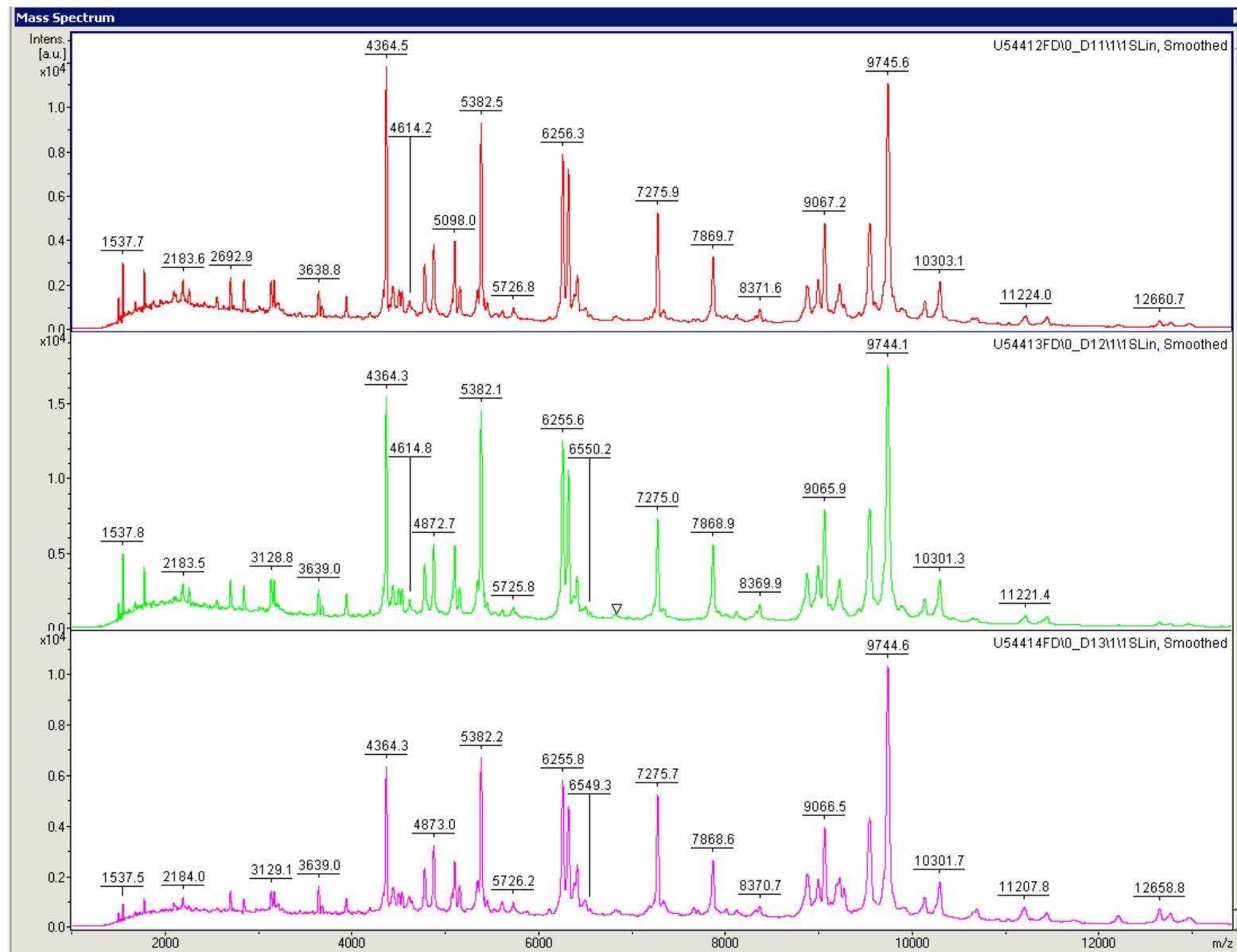
ClinProt® → Biotyper®

BRUKER
DALTONIQUE®



- **Analyse des spectres :**
 - Lissage, correction des lignes de base, normalisation - validation des pics
 - Algorithmes multiples à chaque étape...
 - Paramètres ajustables (e.g. nombre de pics, S/N, intensité, masses considérées, etc....)

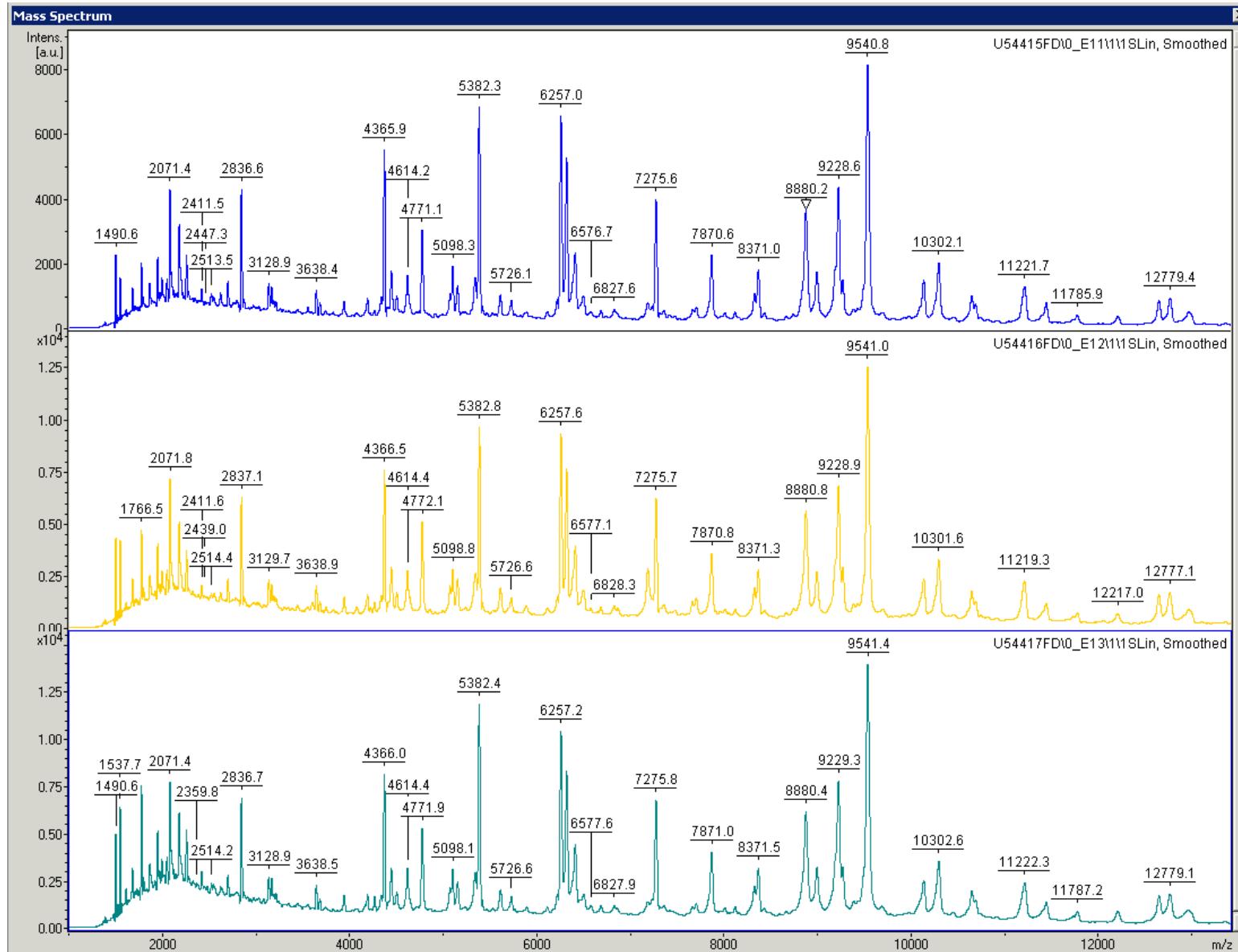
Répétabilité



BL21 tube 1 déposé en triplicate, (20 fois 50 tirs)

E. coli

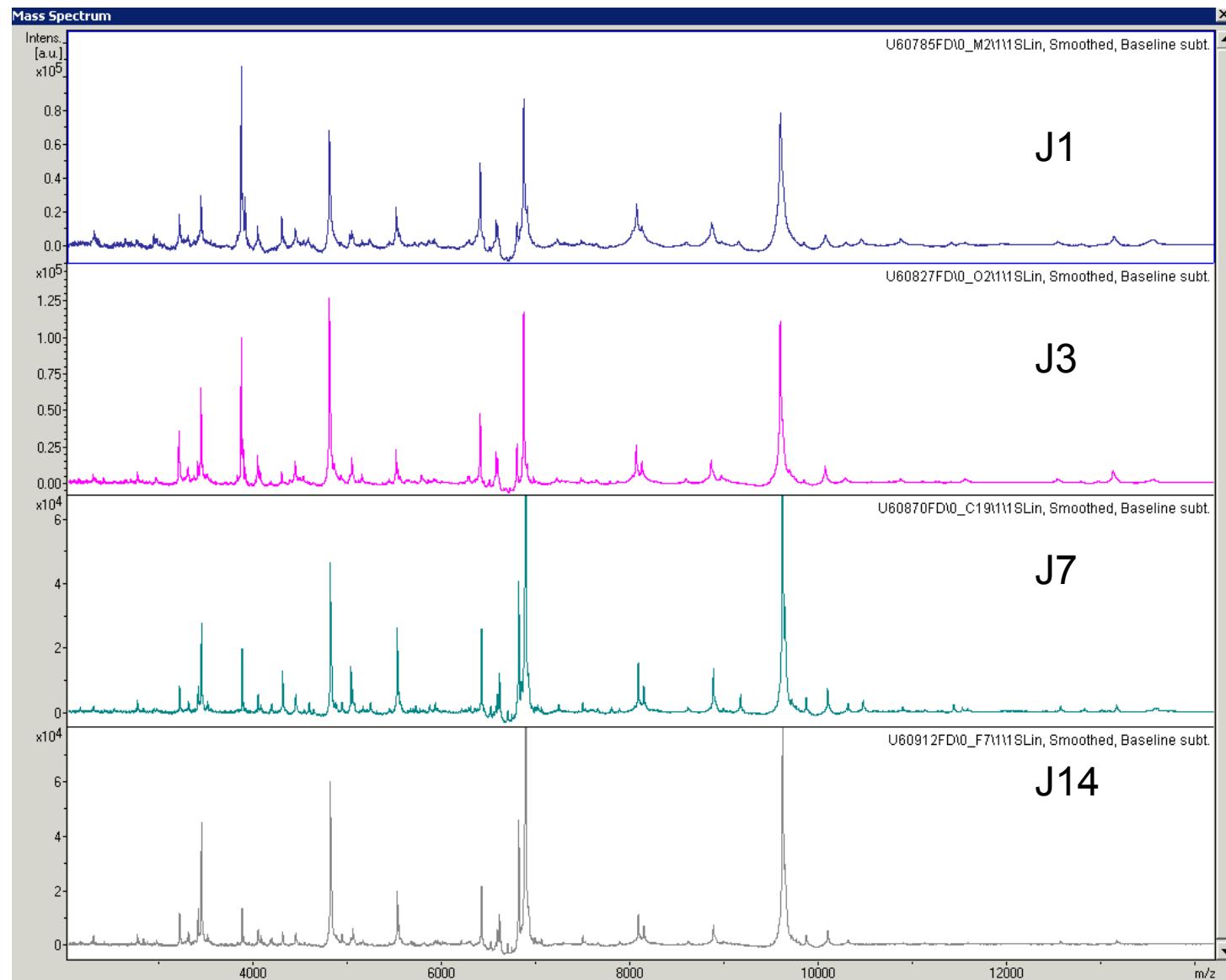
Répétabilité



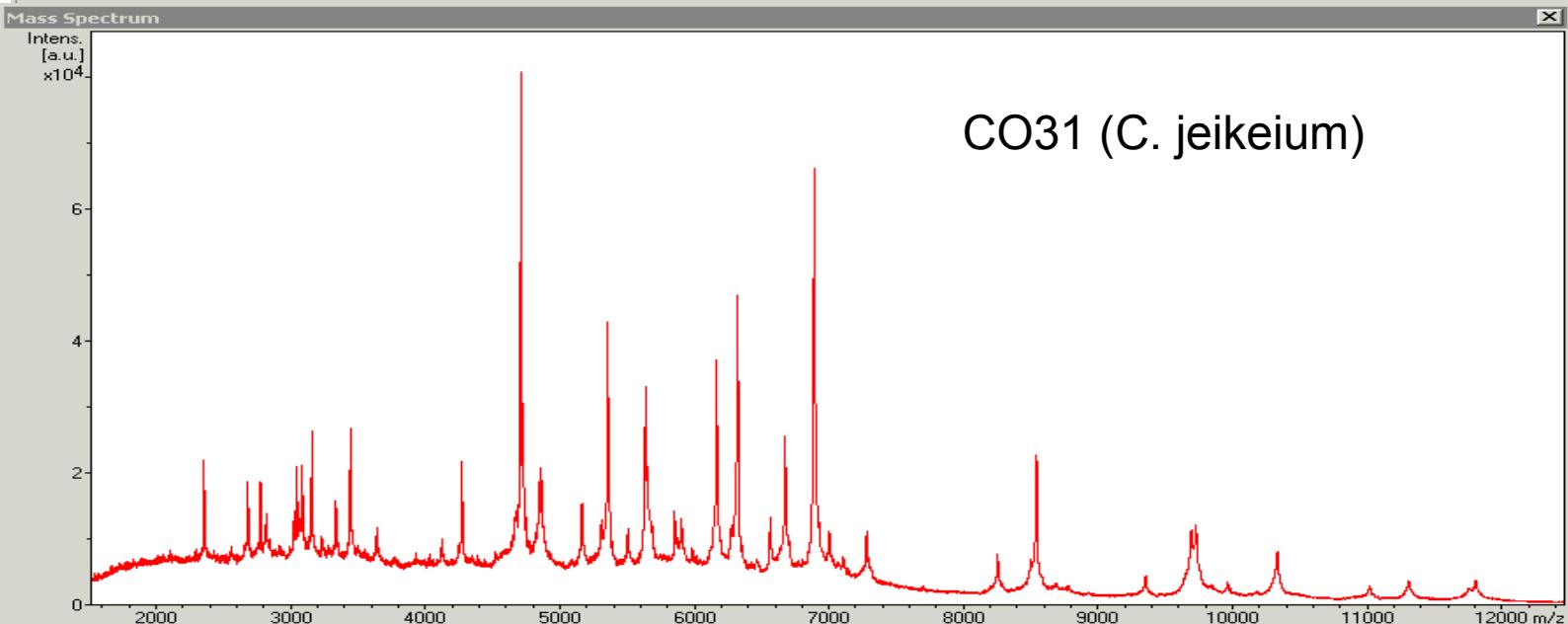
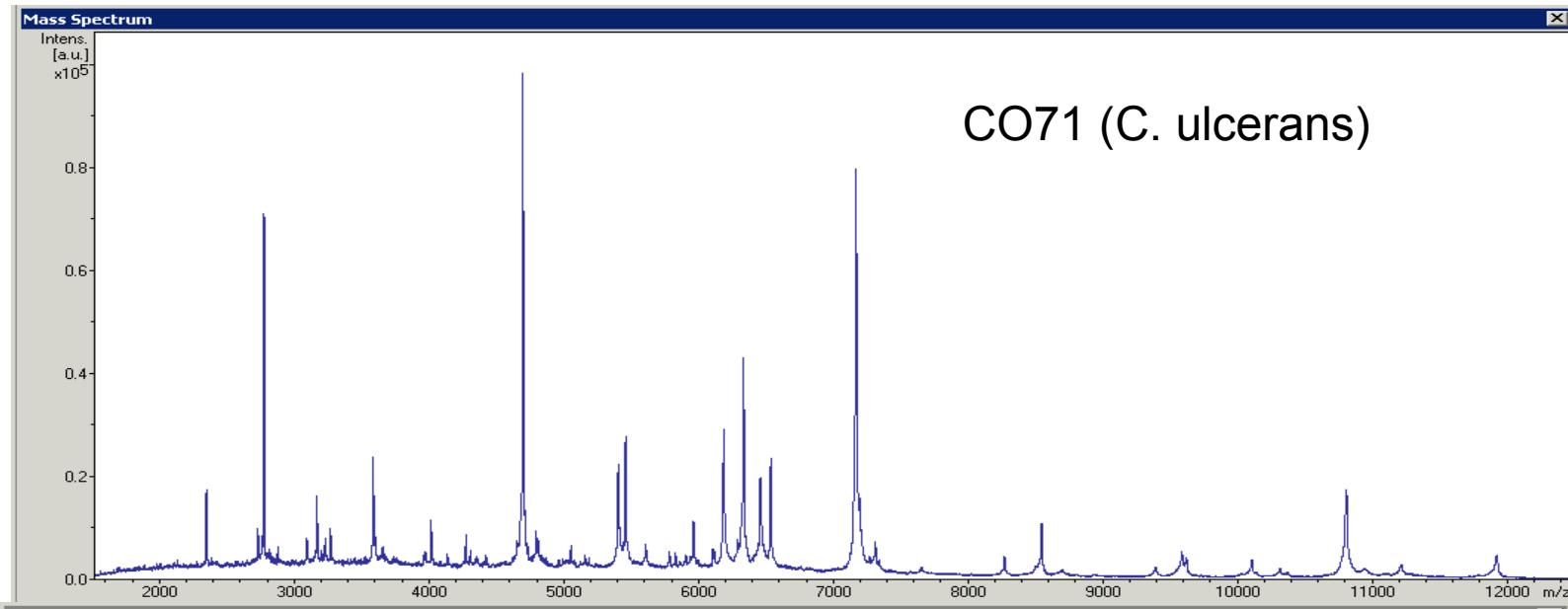
BL21 tube 2 déposé en triplicate, (20 fois 50 tirs)

E. coli

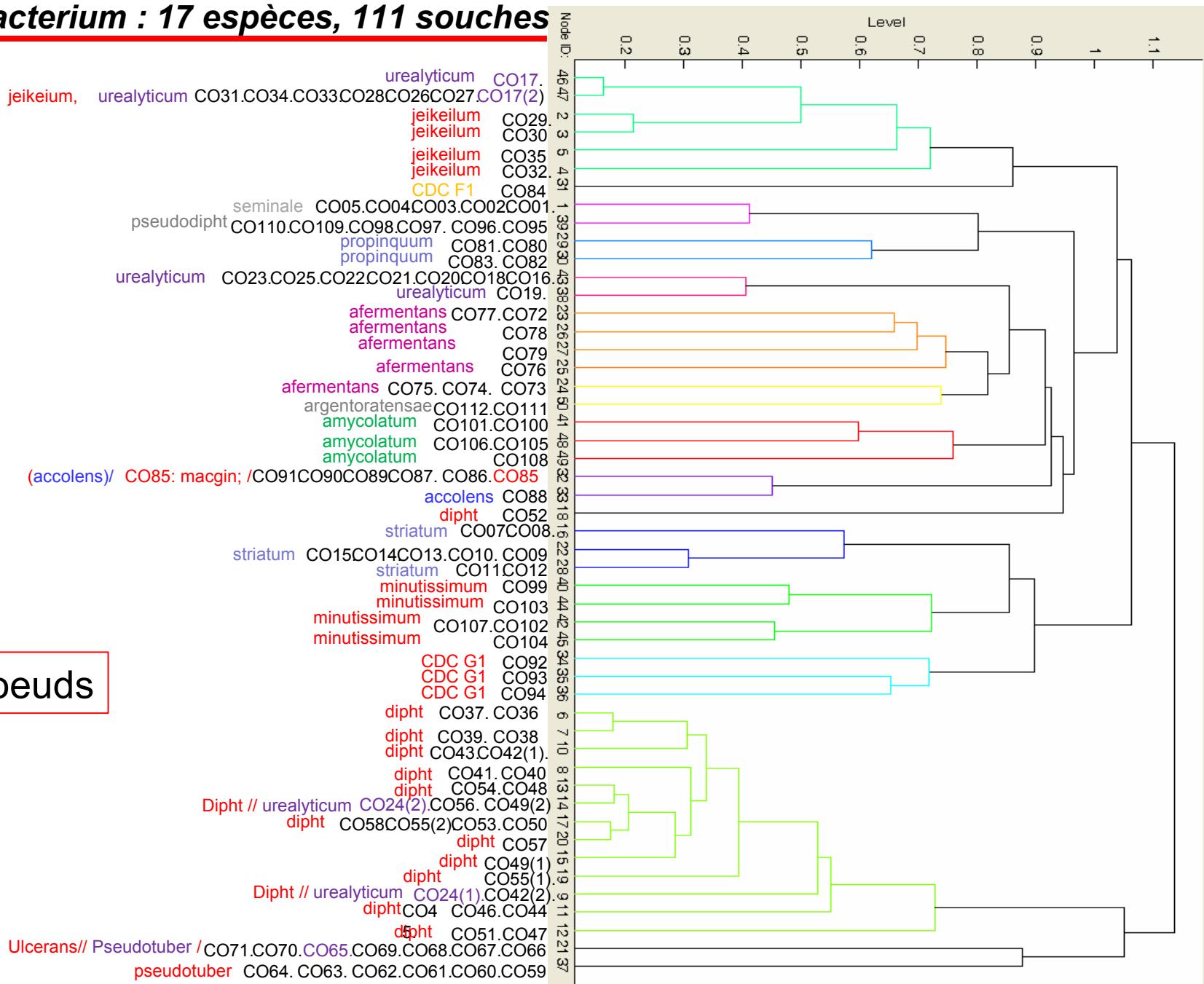
Reproductibilité *Staphylococcus aureus*



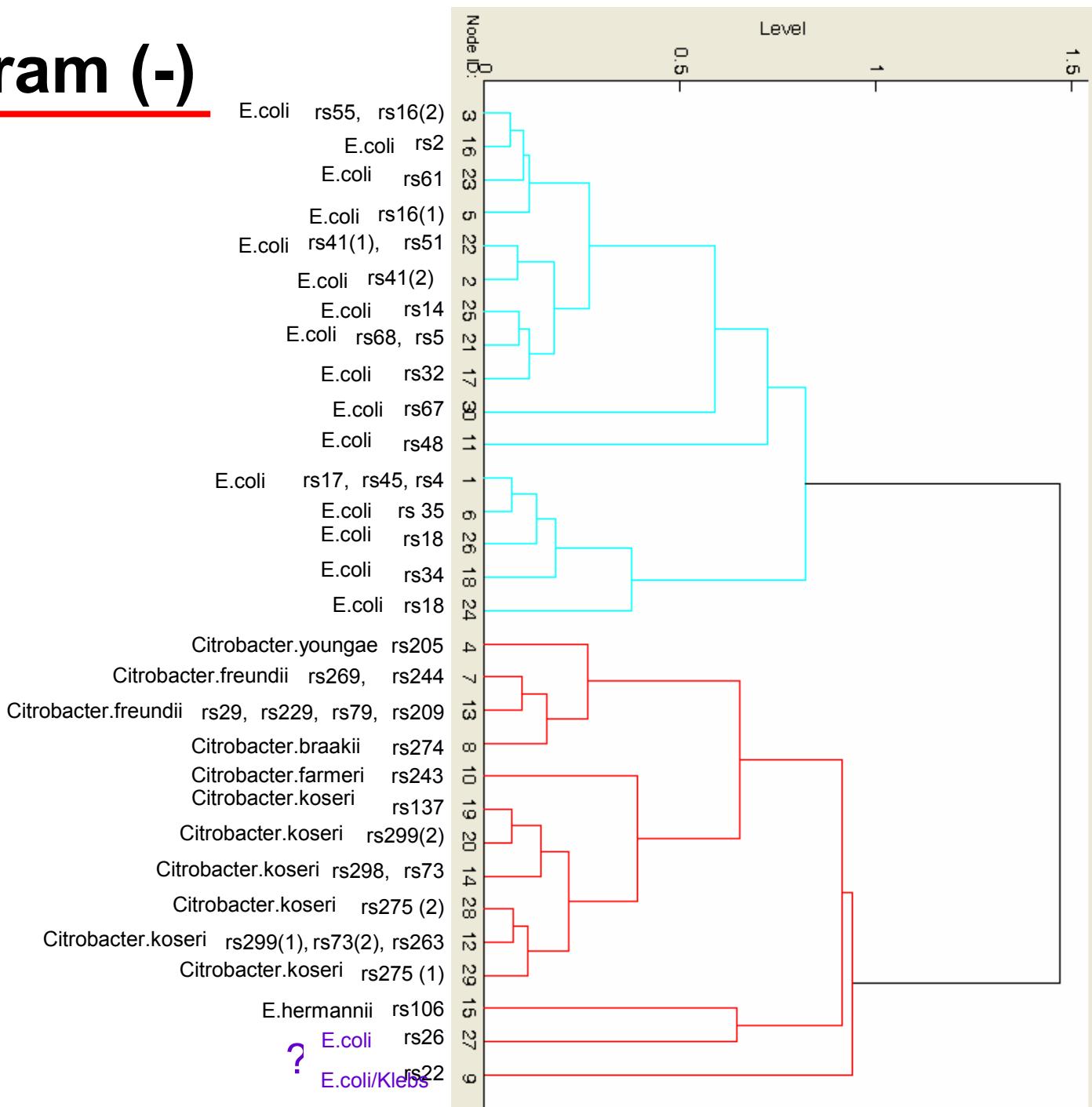
Identification *Corynebacterium* spp



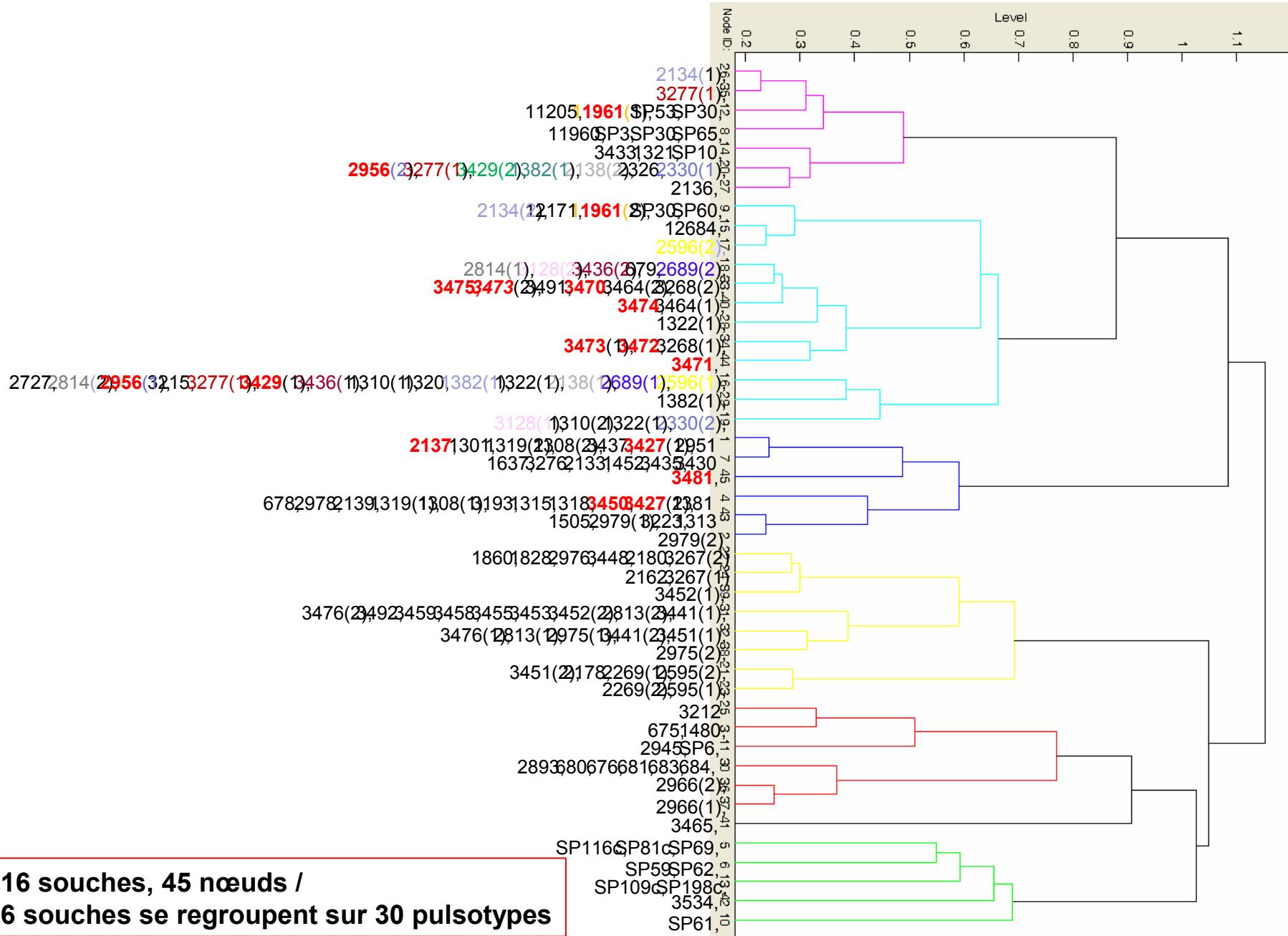
Corynebacterium : 17 espèces, 111 souches



Bacilles Gram (-)



Marqueur épidémiologique ?? : *Staphylococcus aureus*



CONCLUSION

- ✓ Spectrométrie de masse : grand intérêt naissant !
technologie, bonne pratique, qualité banque de données
- ✓ Equipement, faible coût d'exploitation, rapidité, fiabilité
- ✓ Technologie transversale → inter-services, inter-sites !!
→ bactériologie, mycologie, parasitologie
- ✓ Identifications microbiennes, épidémiologie,
biomarqueurs -> reconnaissance de souches particulières