

TABLE 2.1
Synthèse immunovirothérapeutique

Date	CD4	C.V.	Événements thérapeutiques
/2005			DEBUT Epivir + Viramune + Zerit
/2007			ARRET Epivir + Viramune + Zerit pour Autres motifs thérapeutiques
0/2007	130 /mm3		
/2007	12 % : 132 /mm3		
/2007			DEBUT Kalétra + Truvada
/2008	16 % : 336 /mm3		
/2008	17.57 % : 323 /mm3	427 Copies/ml	
/2008	15.32 % : 306 /mm3		
/2008	19.44 % : 356 /mm3	380 Copies/ml	
/2008	20.91 % : 337 /mm3	<40 Copies/ml	
/2008	18.22 % : 414 /mm3	62 Copies/ml	
/2008	18.53 % : 404 /mm3	89 Copies/ml	
/2008	18.45 % : 424 /mm3	<40 Copies/ml	
/2009	17.9 % : 340 /mm3	<40 Copies/ml	
/2009			ARRET Kalétra + Truvada pour Simplification thérapeutique
/2009			DEBUT Norvir + Reyataz + Truvada
/2009	22.64 % : 403 /mm3	70 Copies/ml	
/2009	25.28 % : 484 /mm3	<40 Copies/ml	
/2009			ARRET Norvir + Reyataz + Truvada pour Echec virologique
/2009			DEBUT Norvir + Prezista + Truvada
/2009	24.83 % : 574 /mm3	<40 Copies/ml	
/2009	27.8 % : 503 /mm3	111 Copies/ml	
/2010	22.69 % : 423 /mm3	<20 Copies/ml	
/2010	21.95 % : 471 /mm3	218 Copies/ml	
/2011	20.39 % : 403 /mm3	62 Copies/ml	
/2011	24.77 % : 417 /mm3	89 Copies/ml	
/2011	24.98 % : 539 /mm3	28 Copies/ml	
/2012	23.01 % : 475 /mm3	29 Copies/ml	
/2012	23.58 % : 409 /mm3	25 Copies/ml	
/2012	23.34 % : 395 /mm3	<20 Copies/ml	
/2012	19.09 % : 466 /mm3	<20 Copies/ml	
/2013	26.15 % : 453 /mm3	176 Copies/ml	
/2013	52,58 % : 978 / mm3	84 Copies / ml	
/2013	25,98 % : 660 / mm3	40 Copies / ml	
/2014	15,54 % : 345 / mm3	28 Copies / ml	
/2014	21,9 % : 460 / mm3		
/2014			ARRET Norvir + Prezista + Truvada pour Echec virologique
/2014			DEBUT Isentress + Norvir + Prezista + Viread
/2014	26,88 % : 406 / mm3	<20 Copies / ml	
/2015	23,27 % : 452 / mm3	17706 Copies / ml	
/2015	21,52 % : 424 / mm3	286 Copies / ml	
/2016	25,88 % : 546 / mm3	<20 Copies / ml	
/2016			DEBUT Harvoni
/2016		38 Copies / ml	
/2016	29,63 % : 548 / mm3	<20 Copies / ml	



Prélèvement(s) de type : <Aucun type>

NRTI	NNRTI	IP	IF	II	IE
M184V/I T215Y/F T215I/L/N/S/V	K101E E138A (RT) V179I/L/M/T G190A/C/Q/S/T/V	I15V M36L/V D60E L63P H69K A71V/T			

D. OLIVIER



SERVICE UNIVERSITAIRE DES MALADIES INFECTIEUSES ET DU VOYAGEUR

Centre de Référence inter-régional des Infections Ostéo-articulaires complexes
Siège de la Coordination Régionale VIH des Hauts-de-France (COREVIH)
Centres gratuits d'information, de dépistage et de diagnostic (CEGIDD)

GENOTYPAGE de RESISTANCE du VIH

Identification du patient

Nom : [REDACTED]
Prénom : [REDACTED]
Date de naissance : [REDACTED]
Sexe : Masculin

Identification du prescripteur

Nom : [REDACTED]
Etablissement : N.C.
Service : N.C.

Identifiant du prélèvement : [REDACTED]
Date du prélèvement : [REDACTED] 2020
Type de prélèvement : ADN PBMC
Type VIH : HIV - 1, sous type : C
Selon la version N° 30 de l'algorithme ANRS-AC11 (01/11/2019)

Date et résultat du dernier tropisme : [REDACTED] 2020 - CCR5
Technique : Génotype (Geno2Pheno)
FPR : 57.00 %

Transcriptase inverse

Conclusion pour la Transcriptase

3TC => Résistance (M184V)
ABC => Résistance possible (M184V, T215I/T/F/S)
FTC => Résistance (M184V)
TDF => Pas d'évidence de résistance (T215I/T/F/S)
ZDV => Résistance (T215I/T/F/S)
DOR => Résistance possible (K101E, G190A)
EFV => Résistance (K101E, G190A)
ETR => Résistance (K101E, E138A, V179V/I, G190A)
NVP => Résistance (K101E, G190A)
RPV => Résistance (K101E, E138A)

Protéase

Conclusion pour la Protéase

ATV => Pas d'évidence de résistance (D60E)
DRV BID => Pas d'évidence de résistance
DRV QD => Pas d'évidence de résistance
LPV => Pas d'évidence de résistance (L63P)
TPV => Données insuffisantes

Intégrase

Conclusion pour l'Intégrase

BIC => Pas d'évidence de résistance
CAB => Résistance (G140R)
DTG BID => Pas d'évidence de résistance
DTG QD => Pas d'évidence de résistance
EVG => Pas d'évidence de résistance
RAL => Pas d'évidence de résistance

GP 120

Conclusion pour la GP 120

FTR => Pas d'évidence de résistance
Tropisme : CCR5



SERVICE UNIVERSITAIRE DES MALADIES INFECTIEUSES ET DU VOYAGEUR

Centre de Référence inter-régional des Infections Ostéo-articulaires complexes
Siège de la Coordination Régionale VIH des Hauts-de-France (COREVIH)
Centres gratuits d'information, de dépistage et de diagnostic (CEGIDD)

GENOTYPAGE de RESISTANCE du VIH

Identification du patient

Nom : [REDACTED]
Prénom : [REDACTED]
Date de naissance : [REDACTED]
Sexe : Masculin

Identification du prescripteur

Nom : [REDACTED]
Etablissement : N.C.
Service : N.C.

Identifiant du prélèvement : [REDACTED]
Date du prélèvement : [REDACTED] 2020
Type de prélèvement : ADN PBMC
Type VIH : HIV - 1 , sous type : B
Selon la version N° 30 de l'algorithme ANRS-AC11 (01/11/2019)

Date et résultat du dernier tropisme : [REDACTED]
Technique : Génotype (Geno2Pheno)
FPR : 25.00 %

Transcriptase inverse

Séquence non amplifiable

Protéase

Séquençage complet

IP : mutations de résistance pouvant être impliquées dans la résistance : aucune

IP : mutations sur codons de résistance avec effets non décrits : aucune

Mutations avec effets non décrits : V3I, S37Q, I62V/I, I72M

Intégrase

Séquençage du codon 65 à 284

II : mutations de résistance pouvant être impliquées dans la résistance : aucune

II : mutations sur codons de résistance avec effets non décrits : aucune

Mutations avec effets non décrits : H67Y/H, V72I, G123S, A124T, T125V, R127K, G193E, Y227F, N232D, D253Y, D256E/D, A265V/A

GP 120

Séquençage du codon 296 à 332

Mutations avec effets non décrits : T297I/T, K305R/K, R306G, R308H, Q310 del, R311 del, 317 ins, V318A, I320G, K322I, N325D, M326I

Commentaires :

ADN-VIH = 173 cop/million leucocytes

[REDACTED]

[REDACTED]