



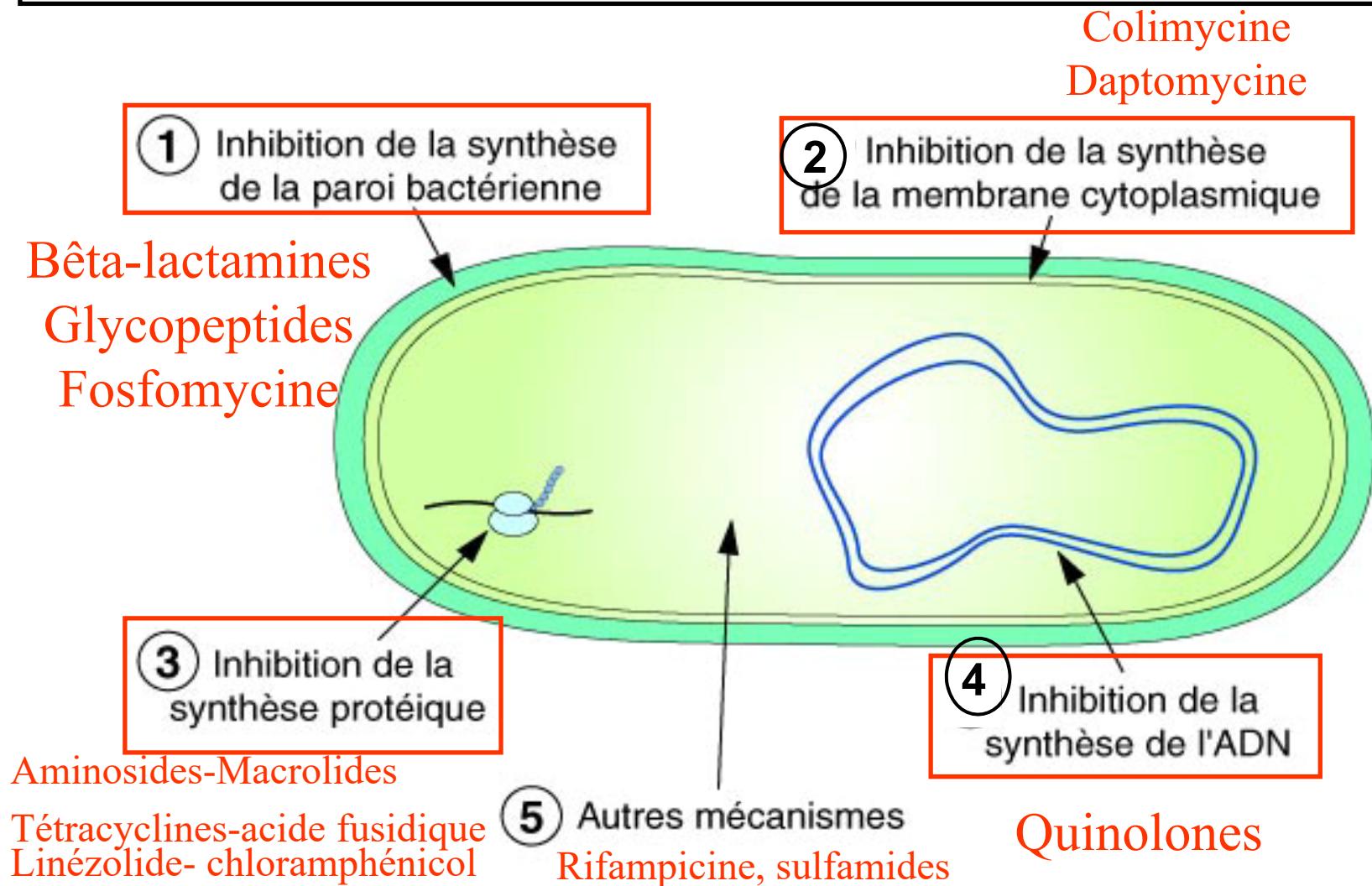
# **Mécanismes d'action et de résistance aux antibiotiques/ Session interactive autour de l'antibiogramme**

**J.L. Mainardi**

**Unité Mobile de Microbiologie Clinique  
Service de Microbiologie  
Hôpital Européen Georges Pompidou  
Faculté et Université Paris René Descartes**

# Généralités (1)

## Mécanisme de résistance lié au mode d'action de l'antibiotique



## Généralités (2)

**La résistance est soit naturelle soit acquise**

→ **4 grands mécanismes de résistance**

- Enzymatique
  - Modification de la cible
  - Imperméabilité
  - Efflux
- 
- Les plus fréquents**

## Généralités (3)

**La résistance **naturelle** est caractéristique d'une espèce ou d'un genre ou d'un groupe**

- Bactéries à Gram+ : colistine (structure)  
acide nalidixique (cible)
- Bactéries à Gram- : vancomycine (structure)
- Anaérobie : aminosides (imperméabilité)
- Genre *Klebsiella* : amoxicilline, ticarcilline, Pipéracilline (pénicillinase)
- Espèce *E. faecalis* : Céphalosporines (tous les entérocoques)-lincomycine-Clindamycine

## **Antibiotiques actifs sur la paroi bactérienne**

**1) Bêta-lactamines**

**2) Glycopeptides**

**3) Fosfomycine**

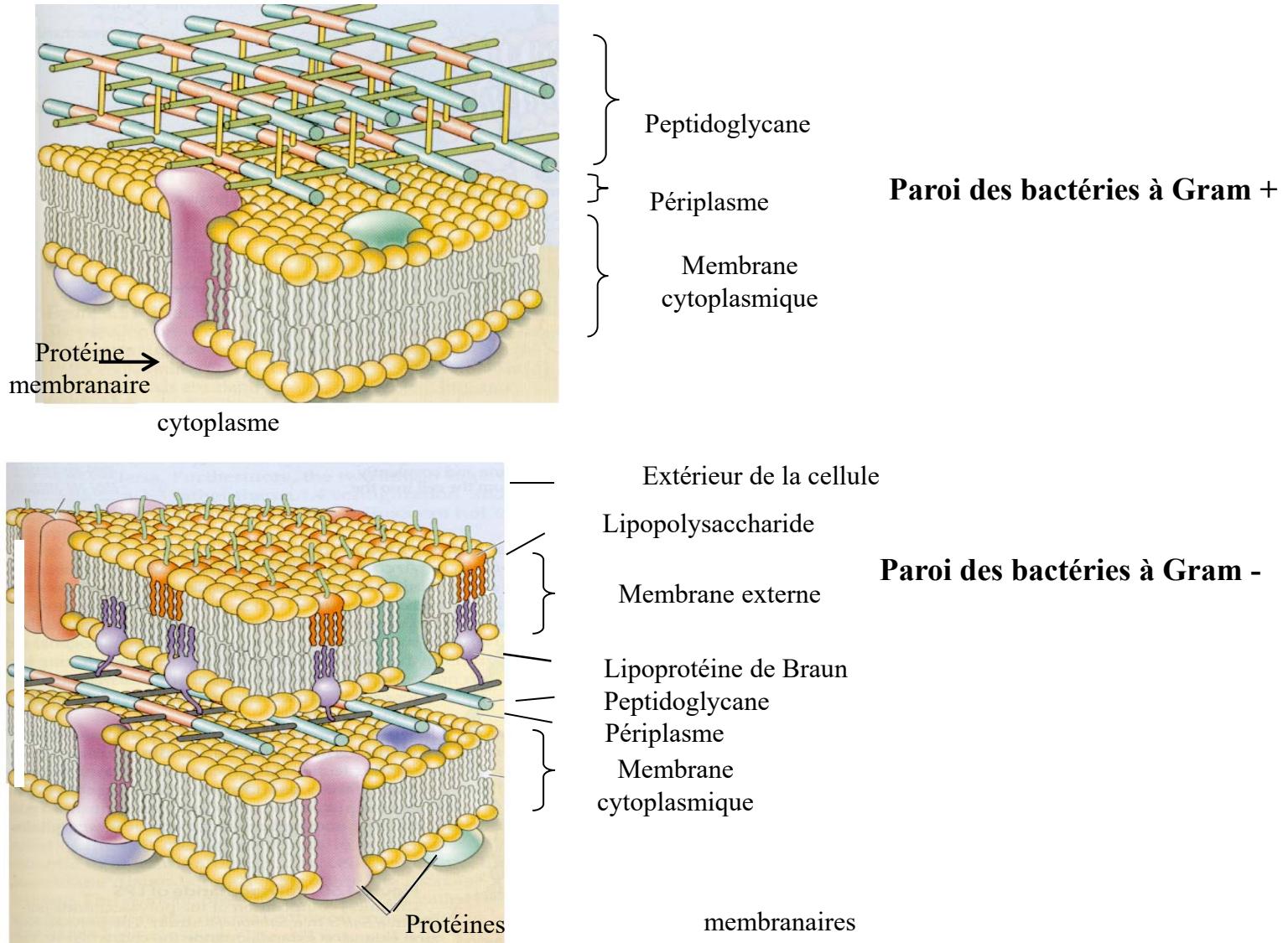
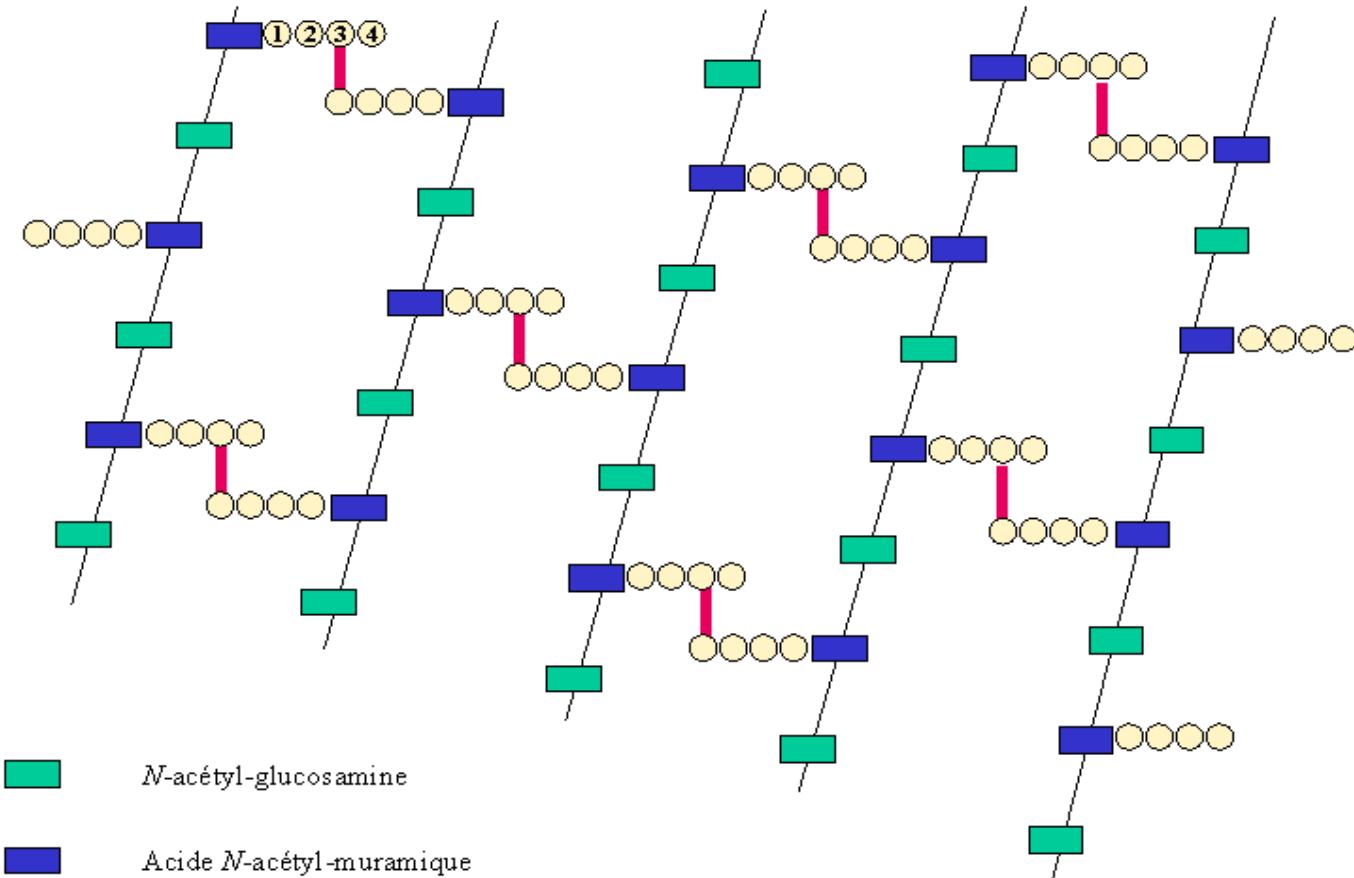


Figure 1 : Paroi bactérienne (D'après Perry *et al.*, Microbial Life, 2002, Sinauer Associated ed)

Mainardi LRMA UMR S 1138

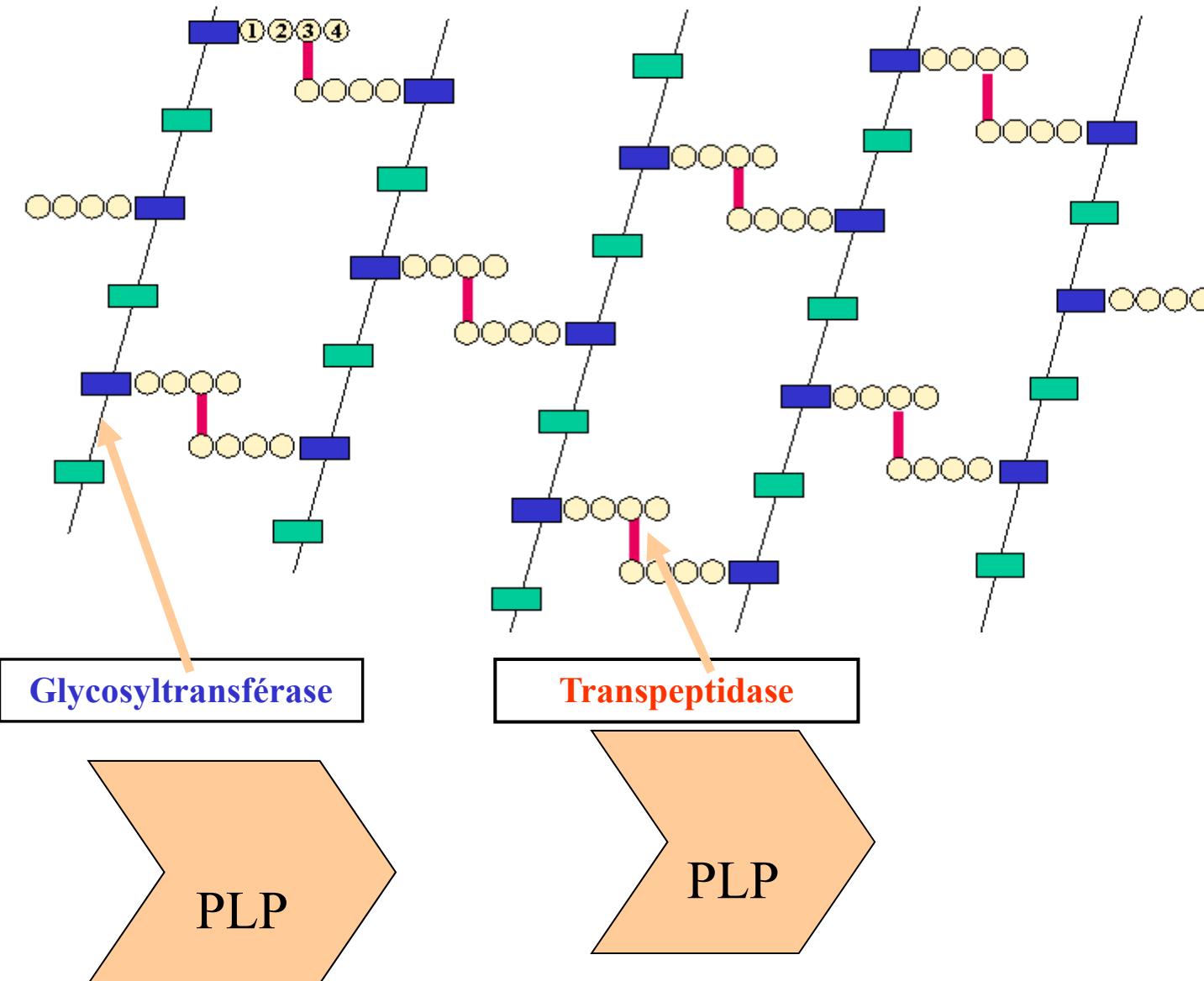
# Structure du peptidoglycane



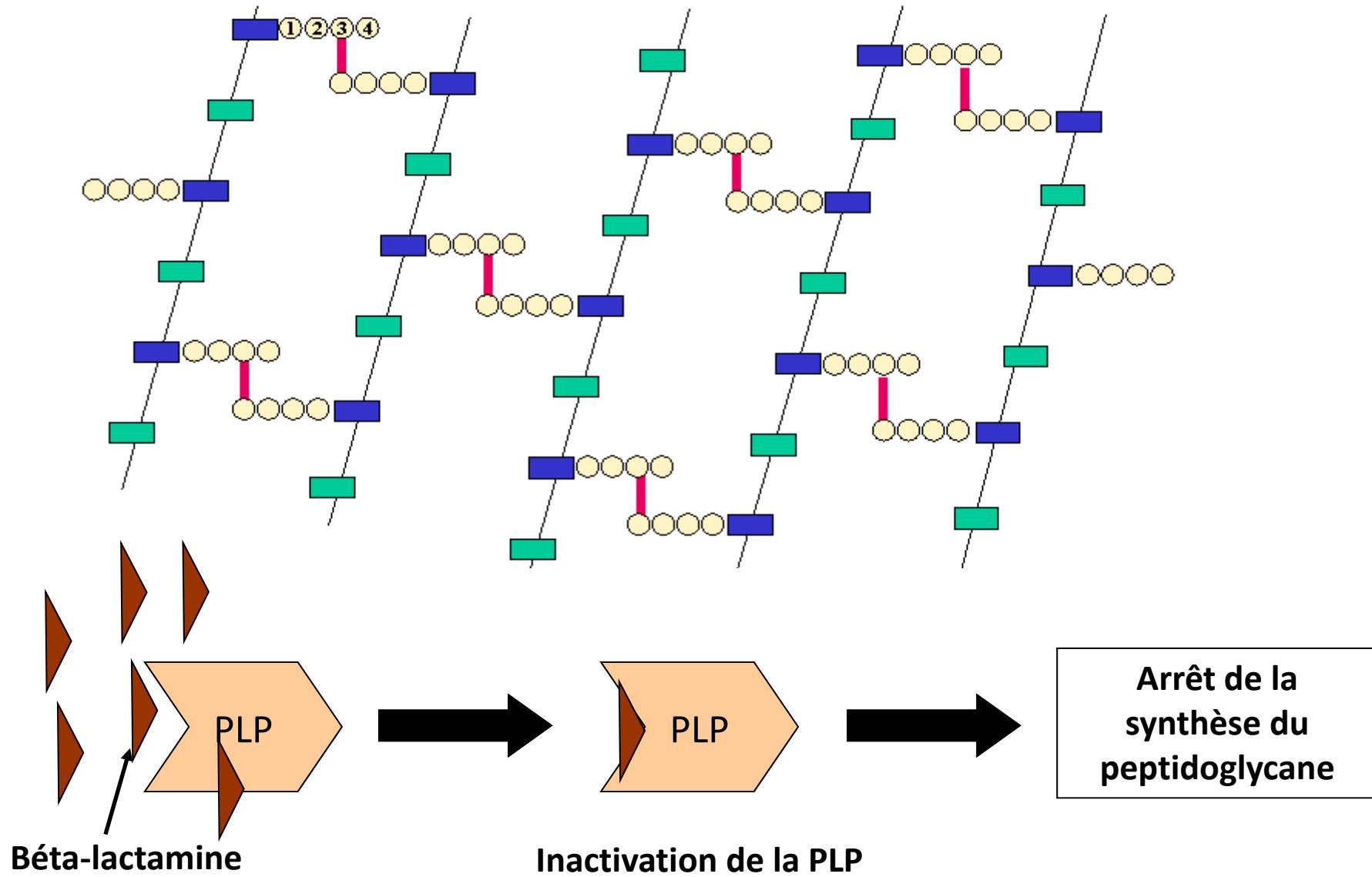
①②③④ Chaîne térapeptidique - 1 : L-Ala (ou Gly ou L-Ser), 2 : D-Glu, 3 : X, 4 : D-Ala

Pont interpeptidique

# Synthèse du peptidoglycane



# Action des bêta-lactamines



# Classification des bêta-lactamines

## Pénicillines

Péni.G

Oxacilline

Amoxicilline

Ticarcilline

Pipéracilline

## Céphalosporines

### C1G :

céfalotine

### C2G :

Céfoxitine

Céfotétan

Céfamandole

### C3G :

Céfotaxime

Ceftazidime

Ceftriaxone

Cefépime

Cefpirome

Ceftaroline

Ceftolozane

## Pénèmes

Imipénème

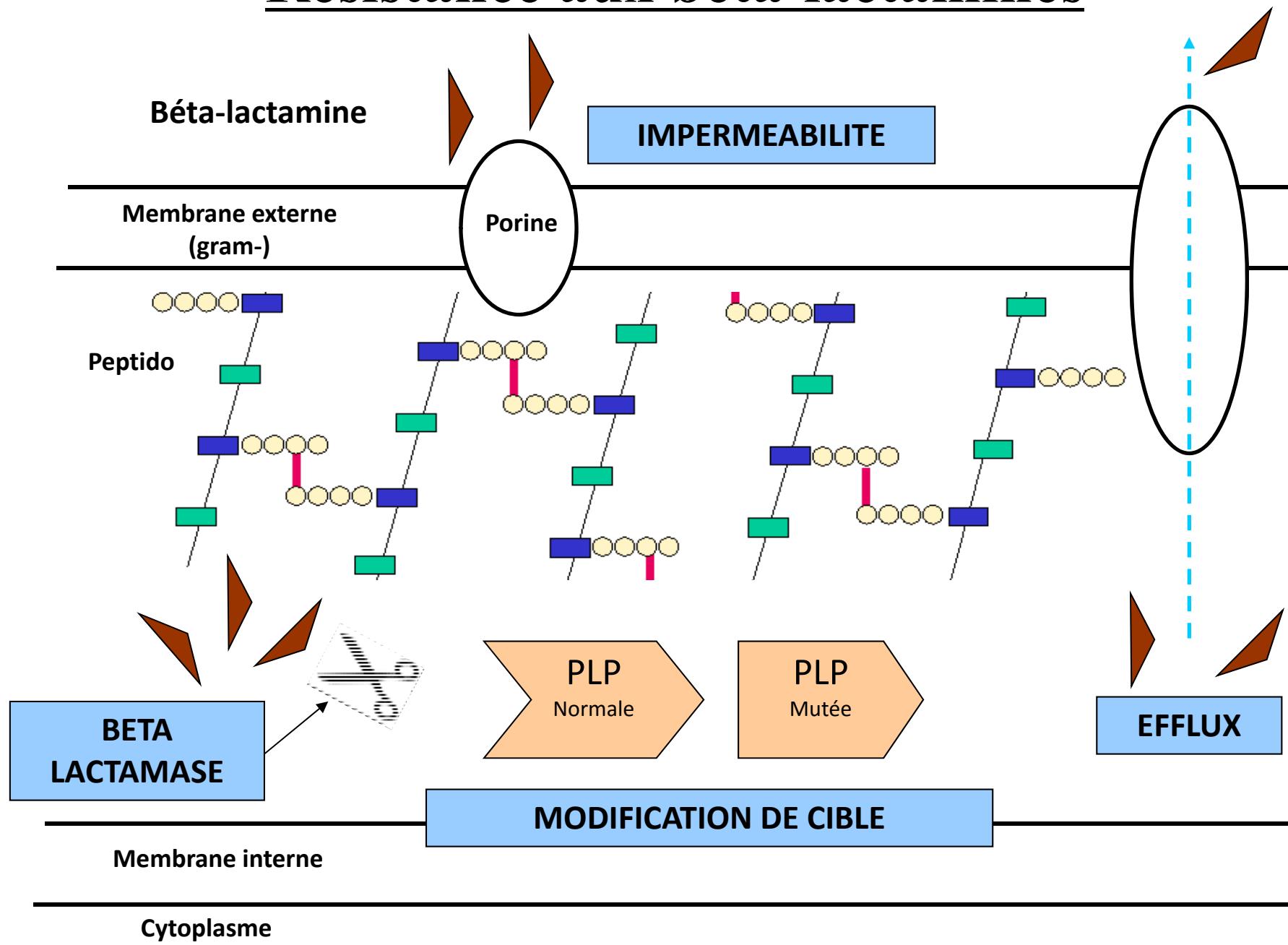
Ertapénème

Doripénème

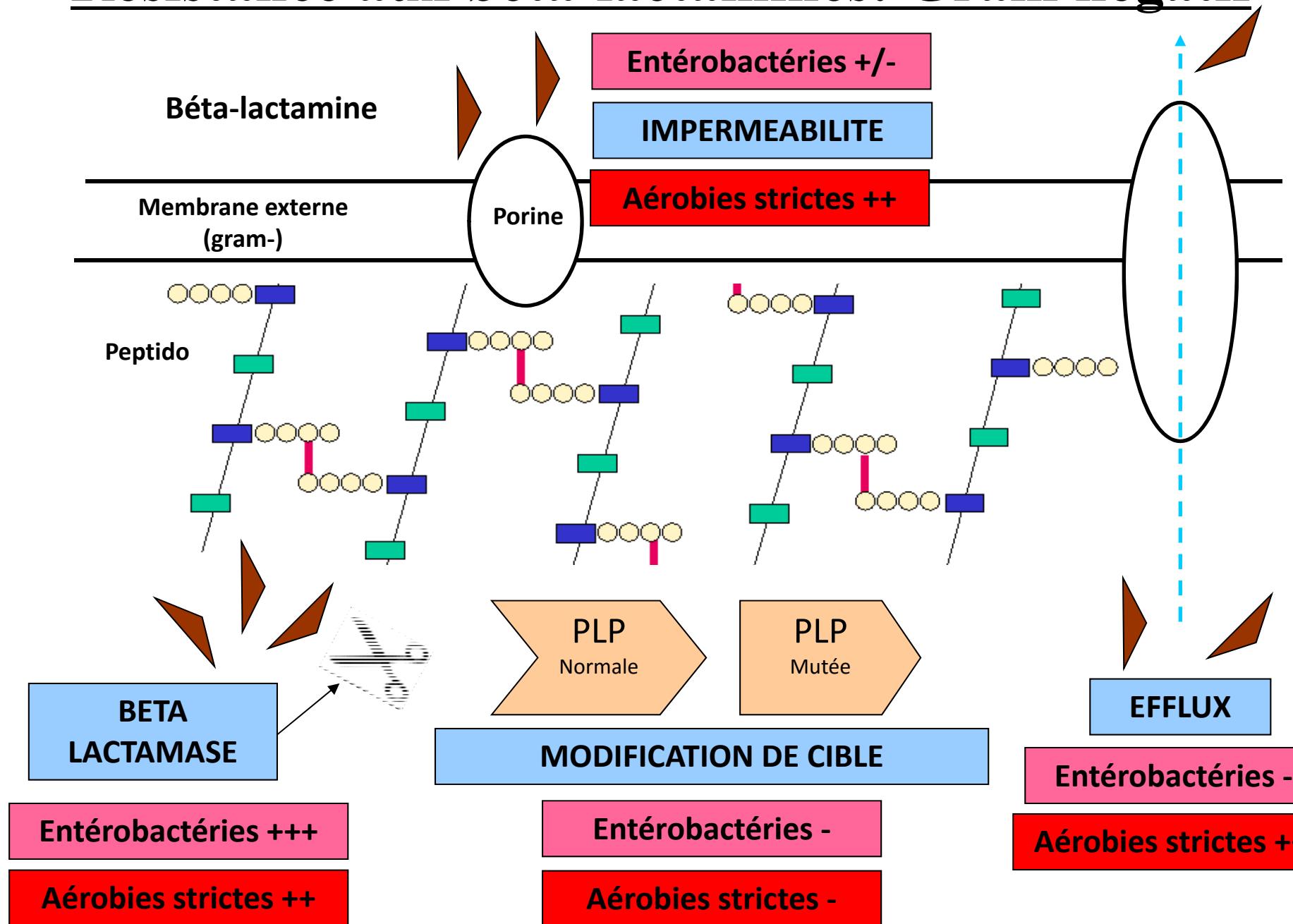
Méropénème

Monobactam: azthréonam

# Résistance aux bêta-lactamines



# Résistance aux bêta-lactamines: Gram négatif



# Résistances naturelles des Entérobactéries

## Entérobactéries du groupe I

Pas de résistance naturelle aux bêta-lactamines

*Proteus mirabilis*  
*Salmonella*  
*Shigella*  
  
*(Escherichia coli)*

## Entérobactéries du groupe II

Pénicillinase chromosomique

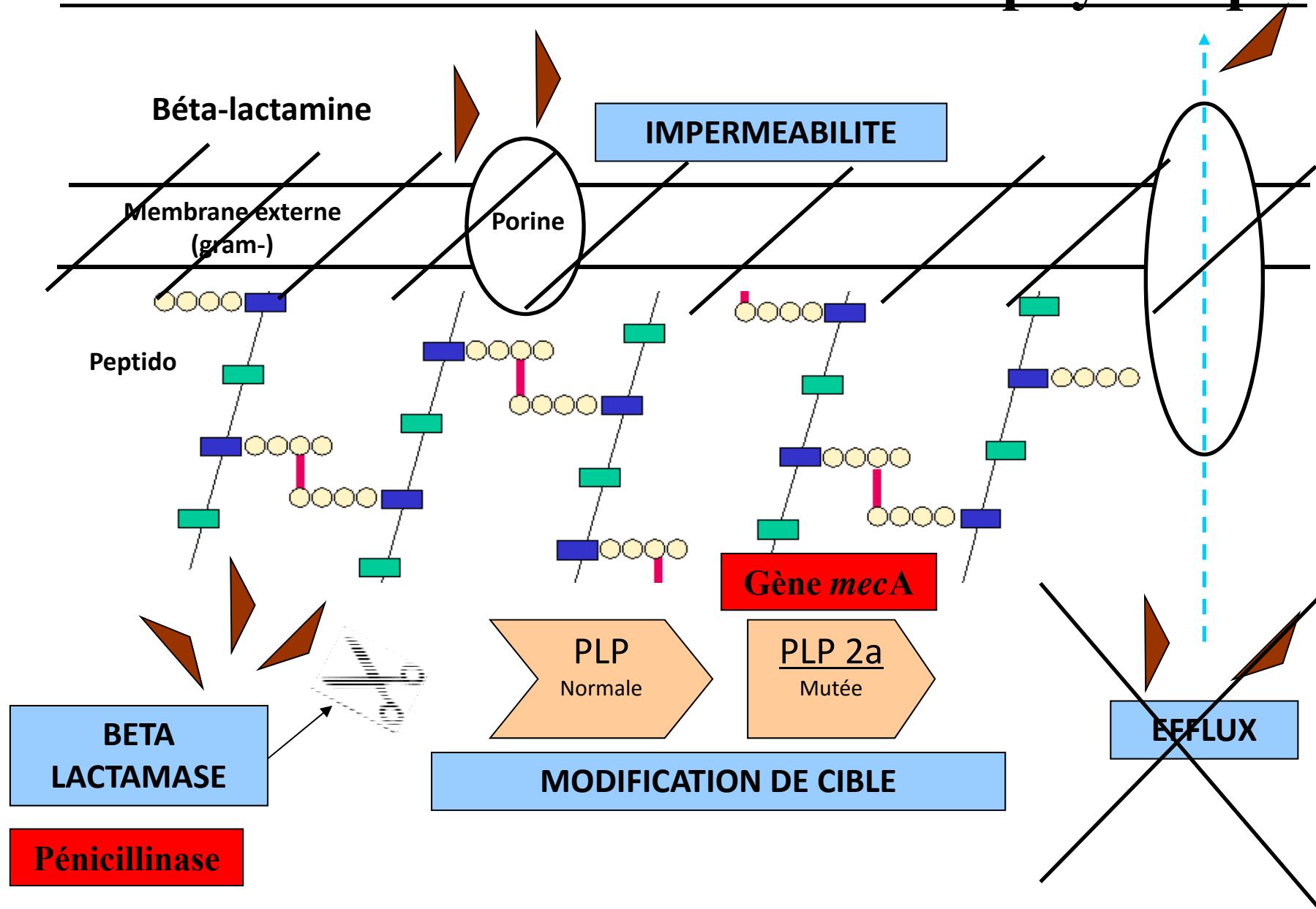
*Klebsiella*  
*Citrobacter koseri*

## Entérobactéries du groupe III

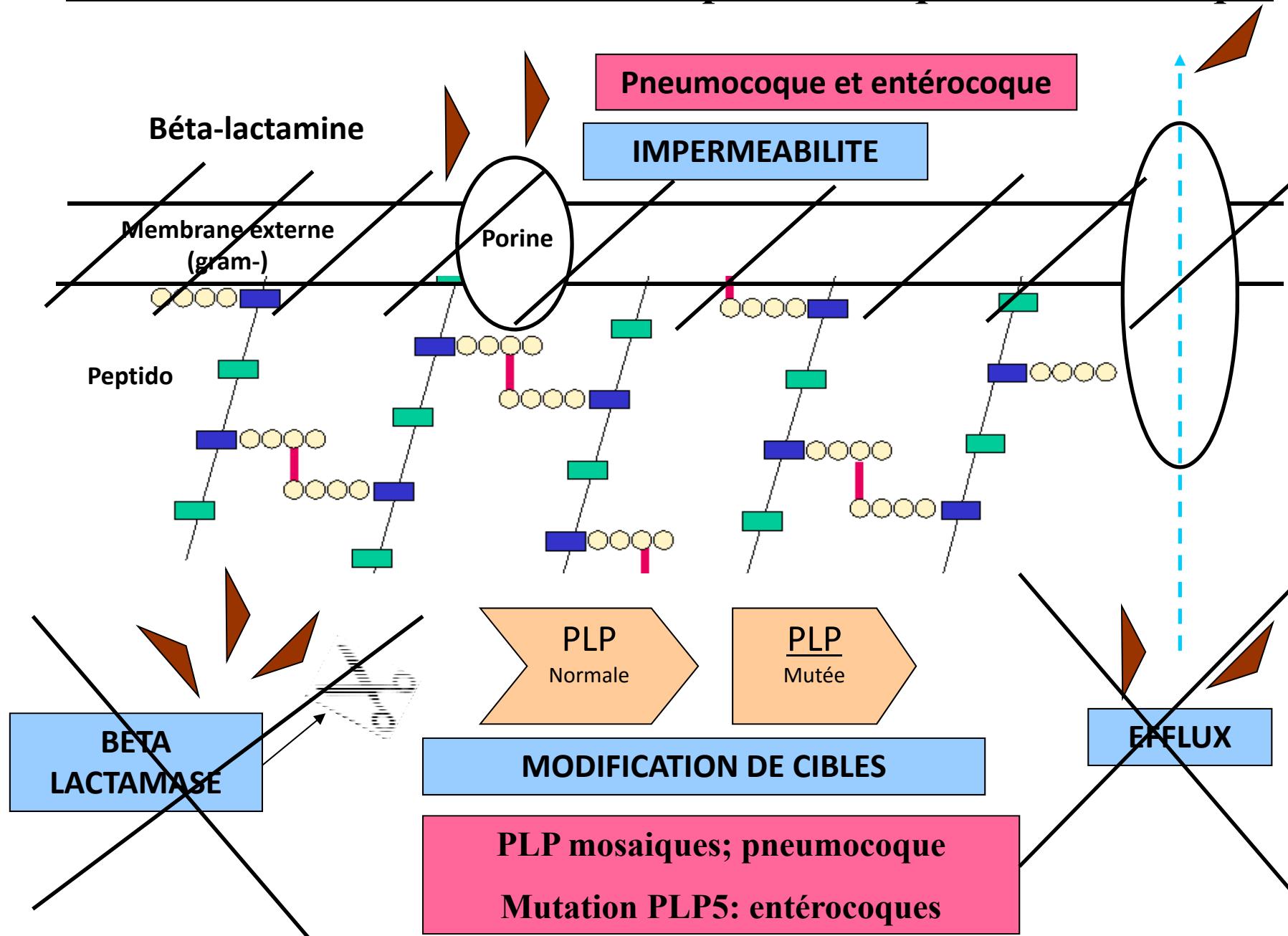
Céphalosporinase chromosomique

*Citrobacter freundii*  
*Enterobacter*  
*Serratia*  
*Morganella*  
*Providencia*  
*Hafnia*

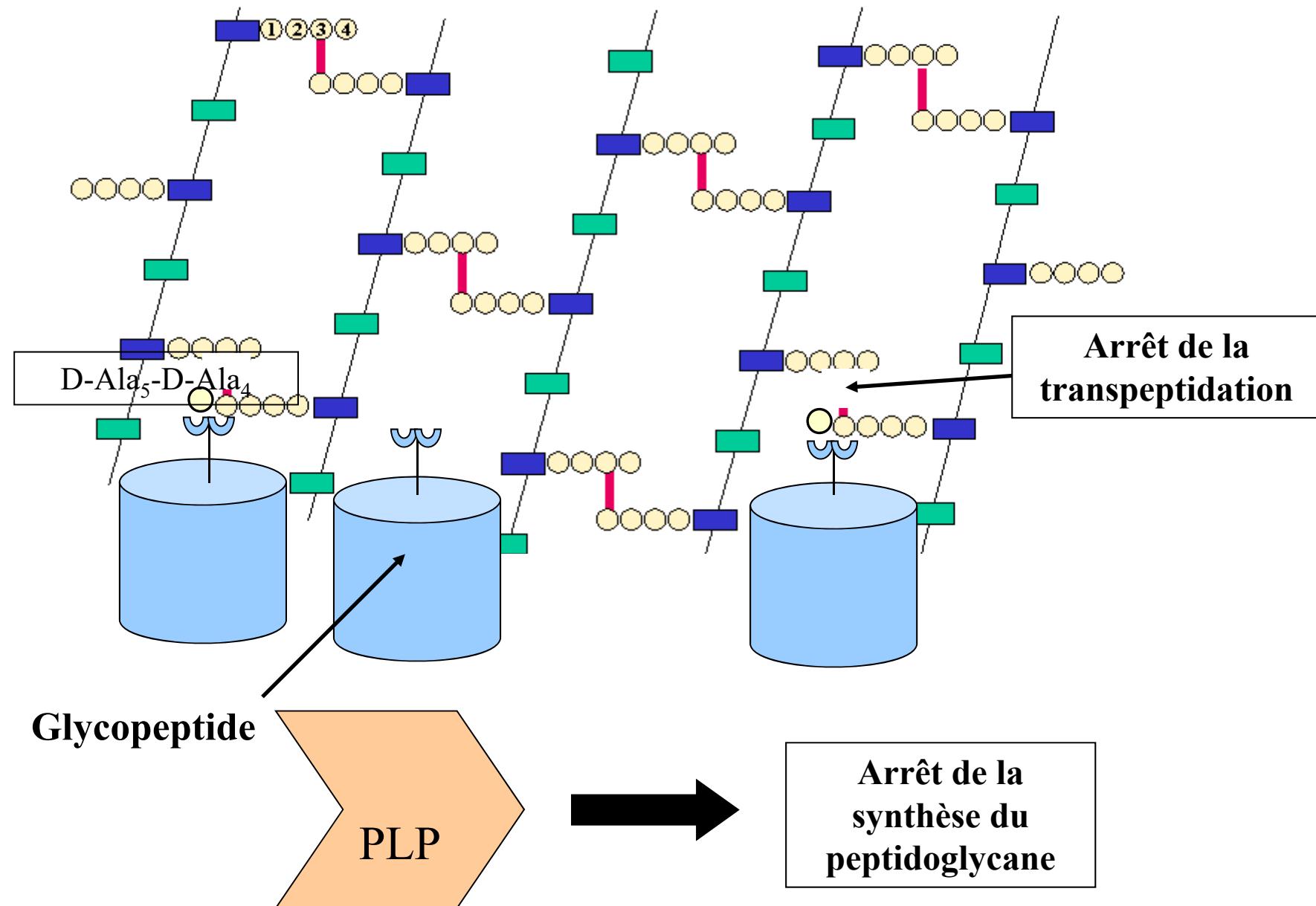
# Résistance aux bêta-lactamines: staphylocoque



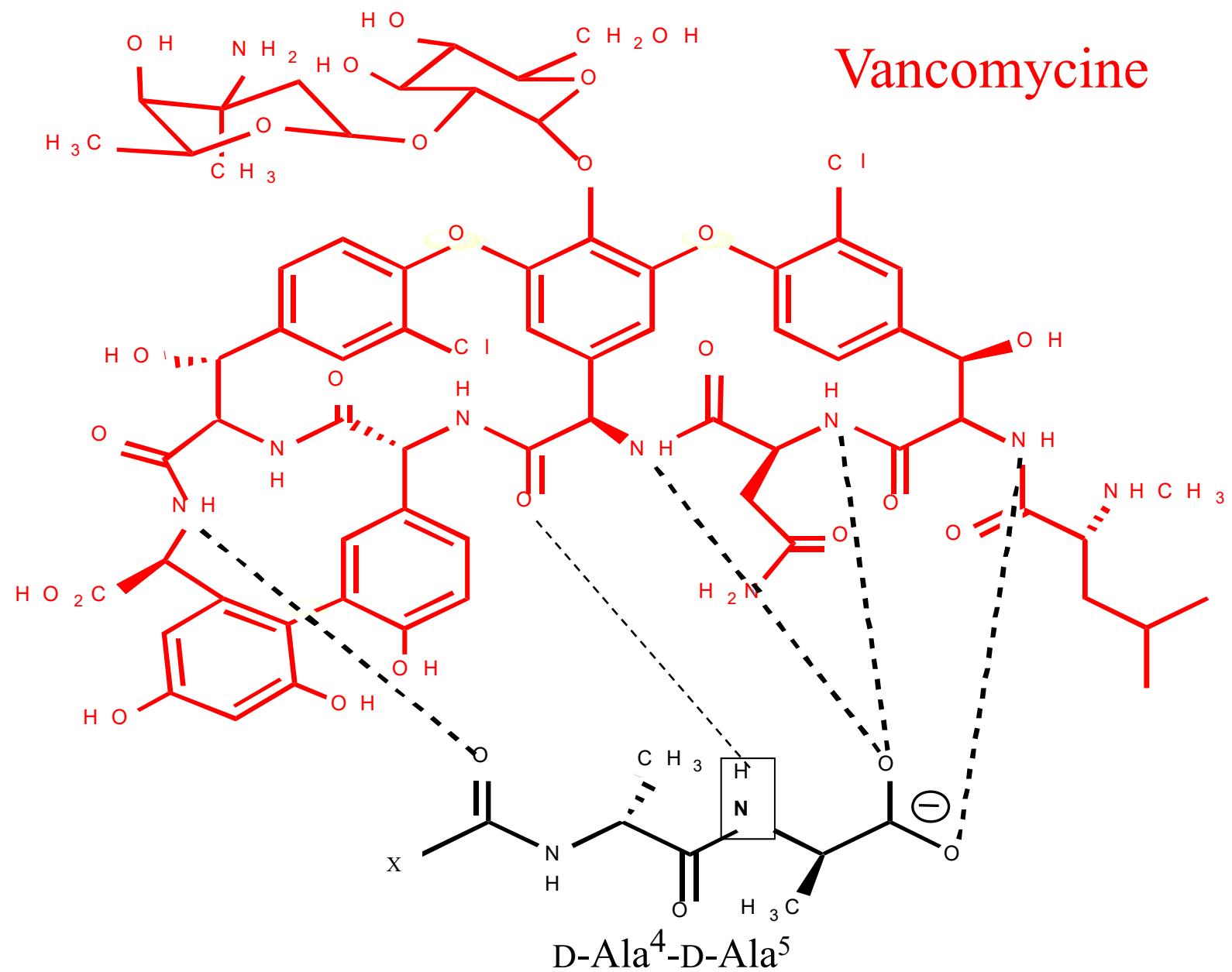
# Résistance aux bêta-lactamines: pneumocoque et entérocoque



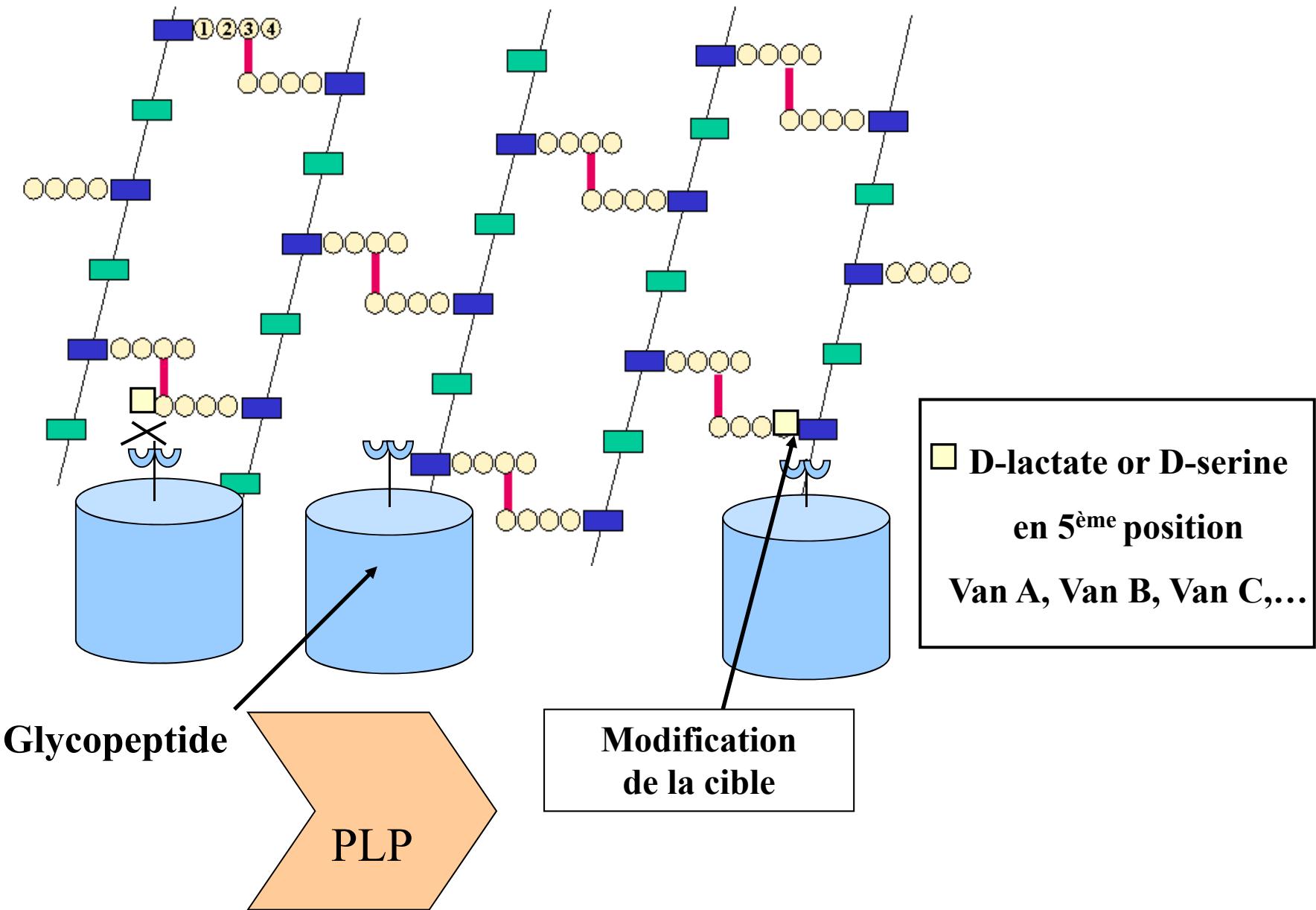
# Action des glycopeptides



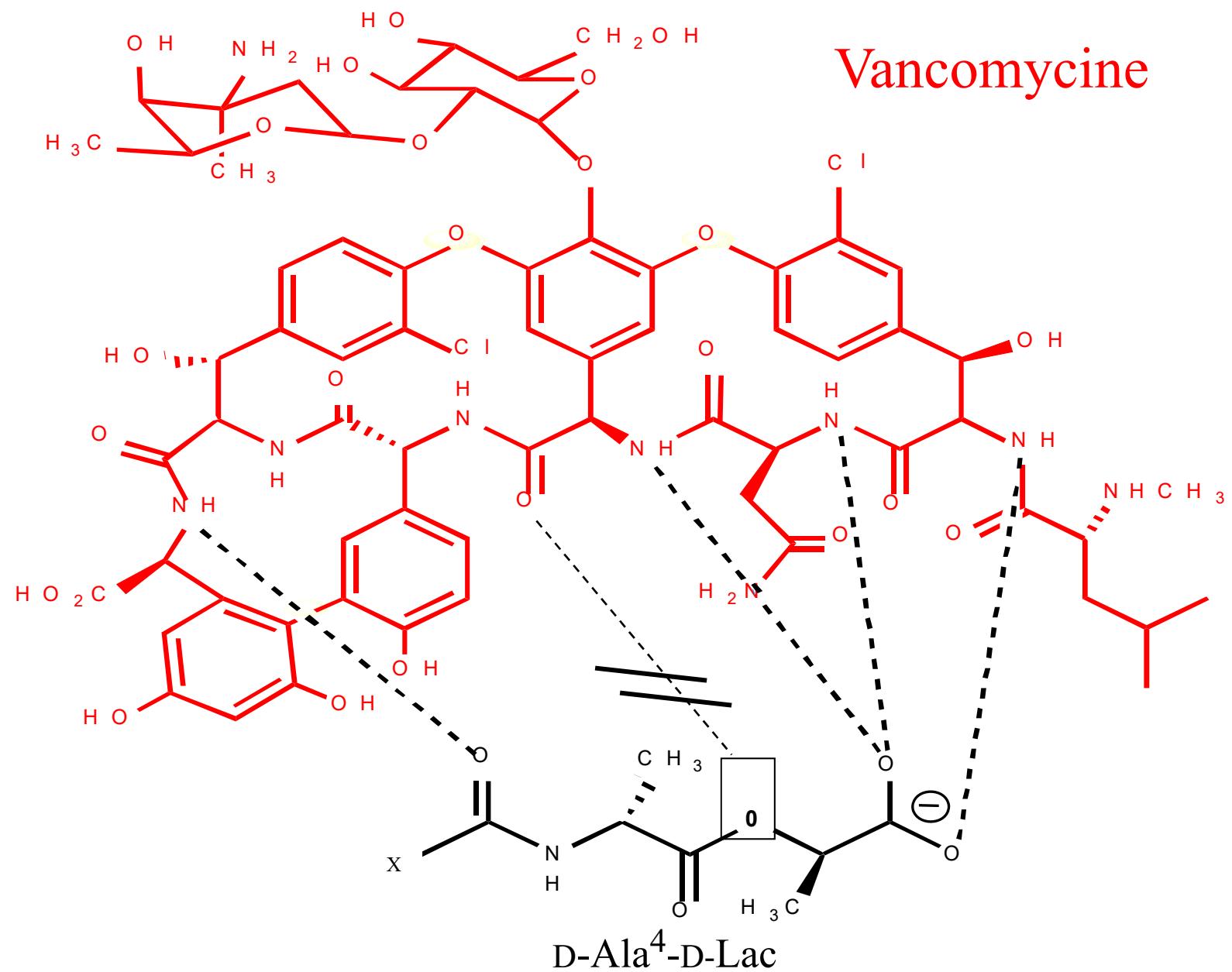
# Vancomycine



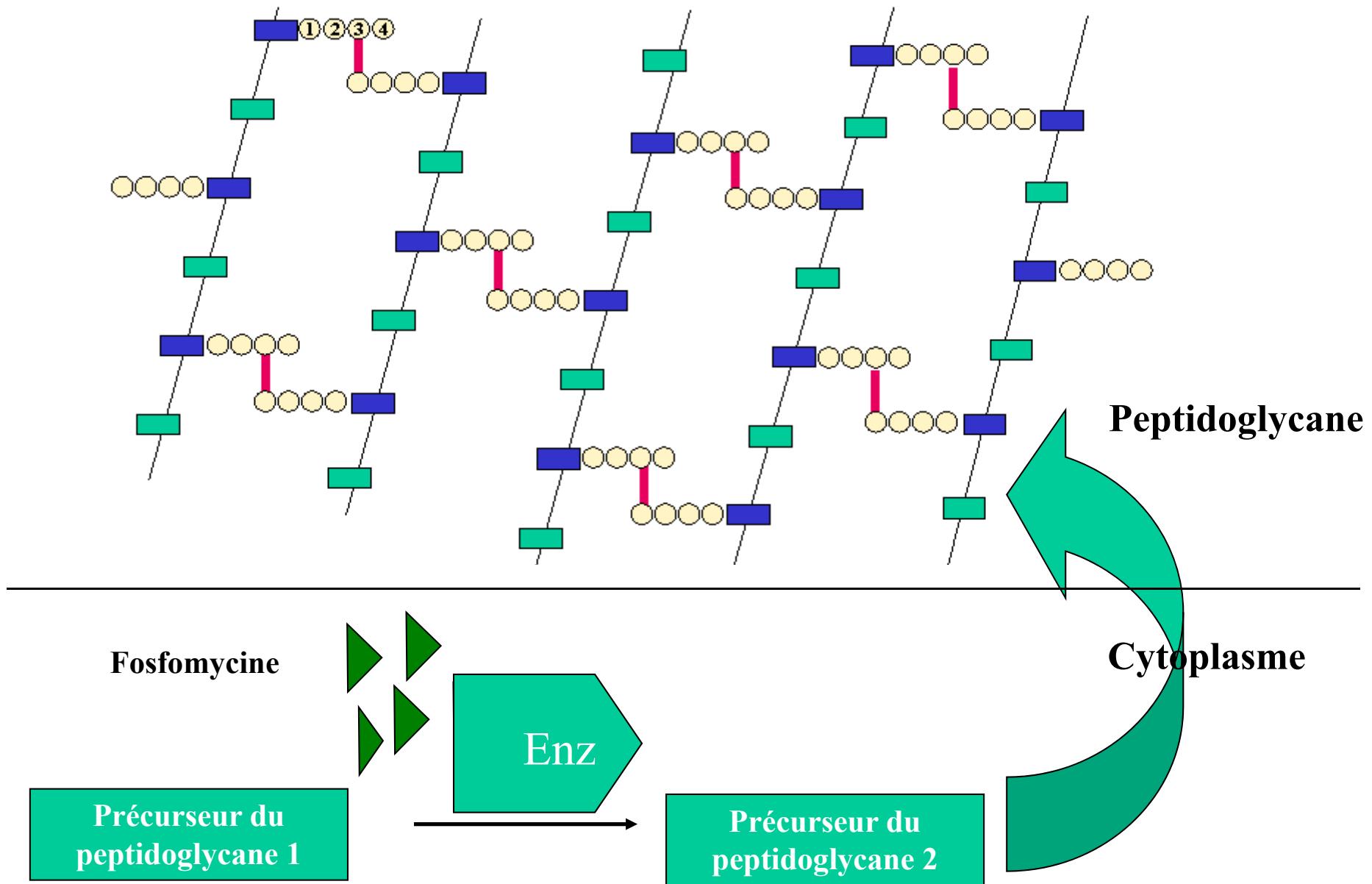
# Résistance aux glycopeptides



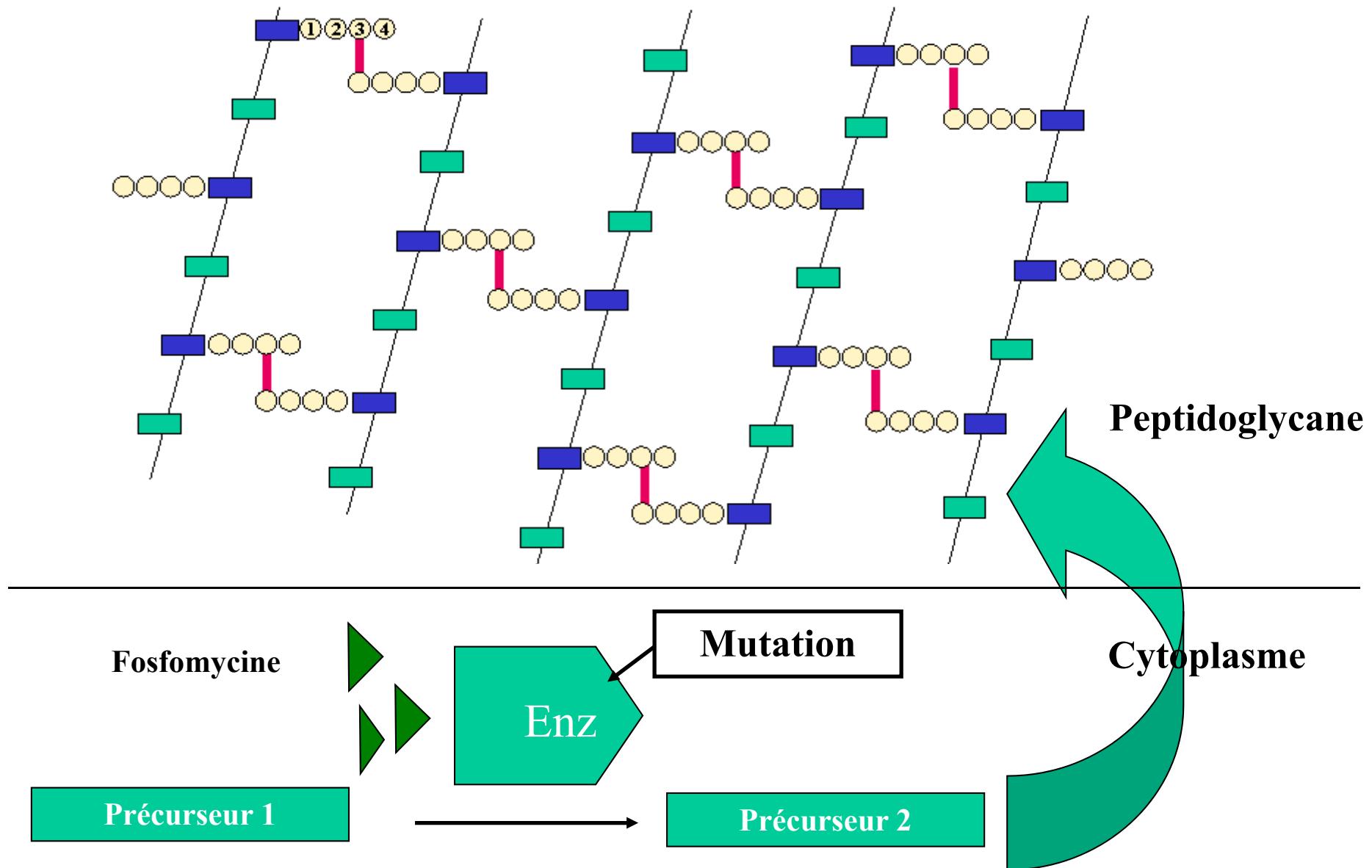
# Vancomycine



# Action de la fosfomycine

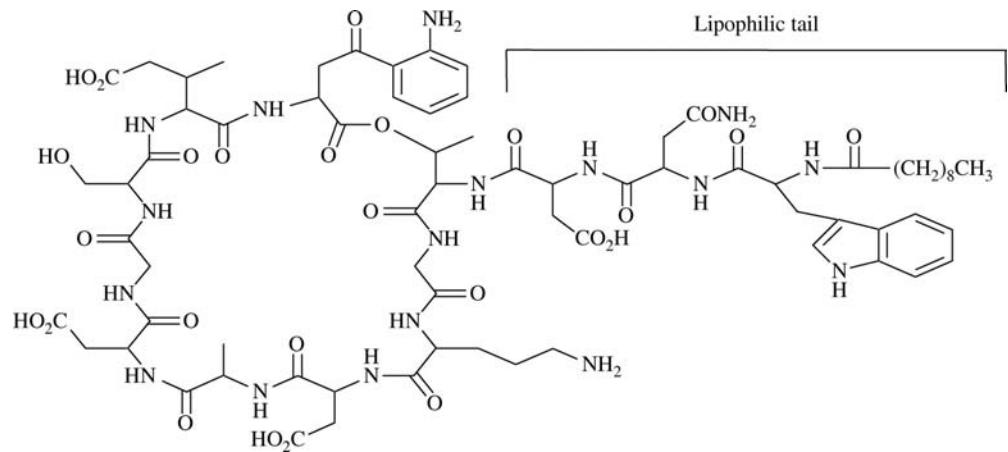


# Résistance à la fosfomycine



# Antibiotiques actifs sur la membrane bactérienne

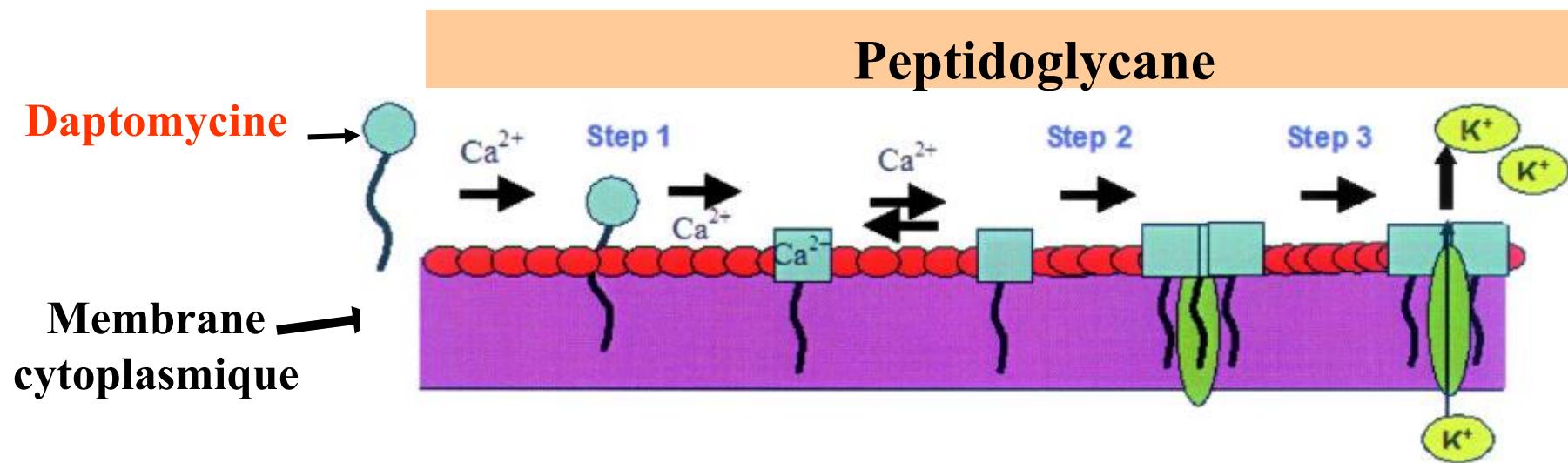
## 1) Daptomycine



*Steenbergen JN. et al. J. Antimicrob. Chemother. 2005  
55:283-288*

## 2) Colimycine

# Mécanisme d'action de la daptomycine



Sivelman et al, Antimicrob. Agents Chemother 2003;47:2538-44

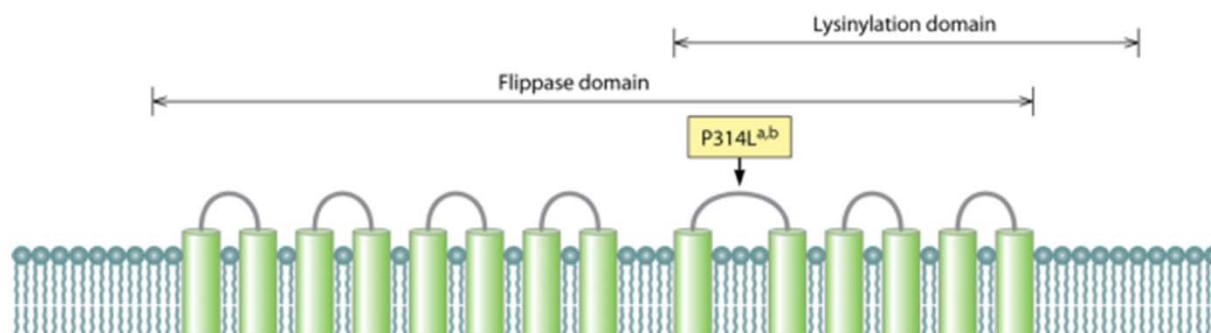
Steenbergen, J. N. et al. J. Antimicrob. Chemother. 2005 55:283-288

Ball et al. Org Biomol Chem 2004 2:1872-8

# Mécanisme de réaction la daptomycine

**Mutations dans les protéines membranaires: modifications de la fixation de la daptomycine (modifications des charges electrostatiques)**

Humphries et al.



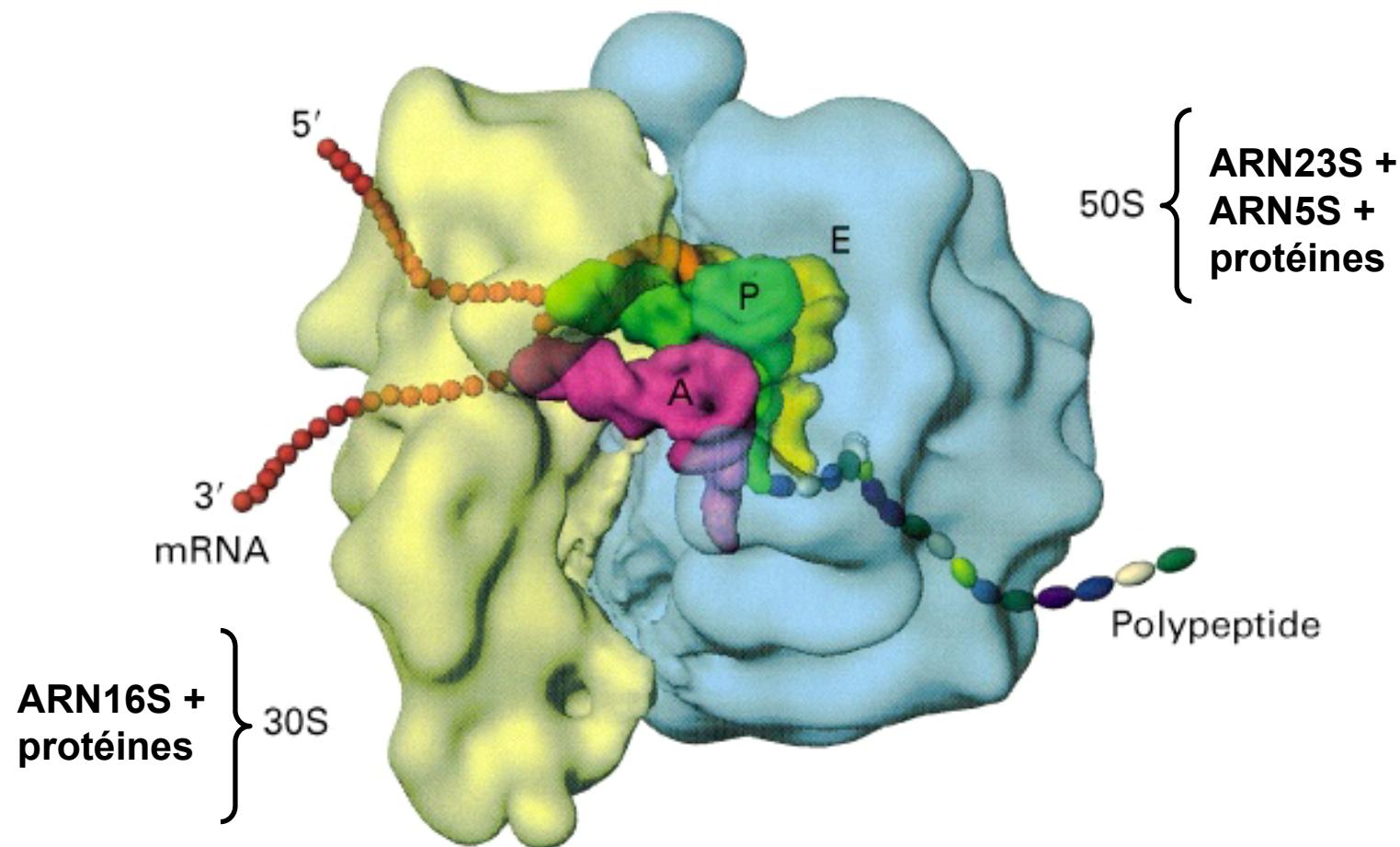
Protéine MprF

Humphries *et al* CMR 2013

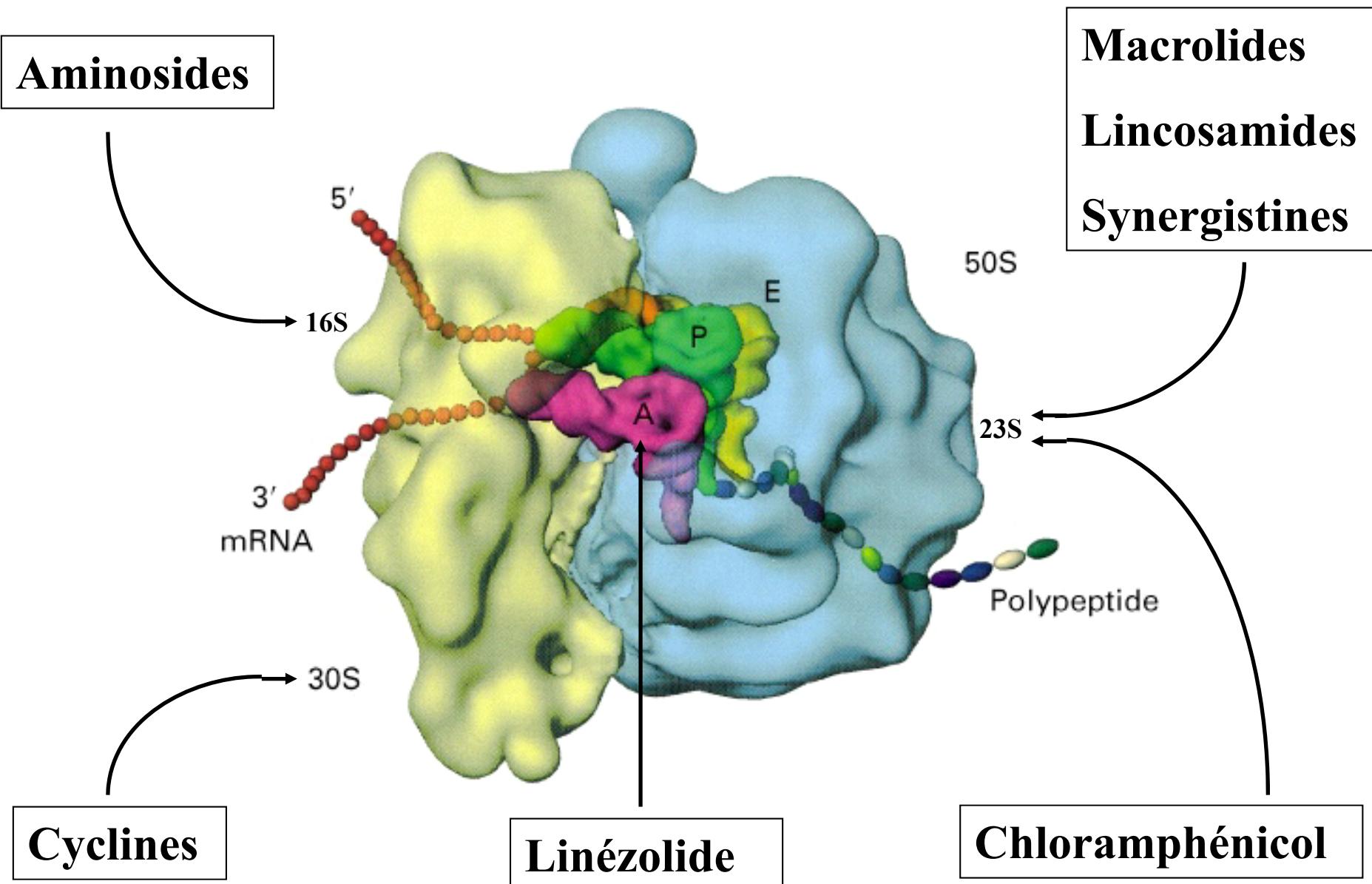
# **Antibiotiques actifs sur la synthèse des protéines**

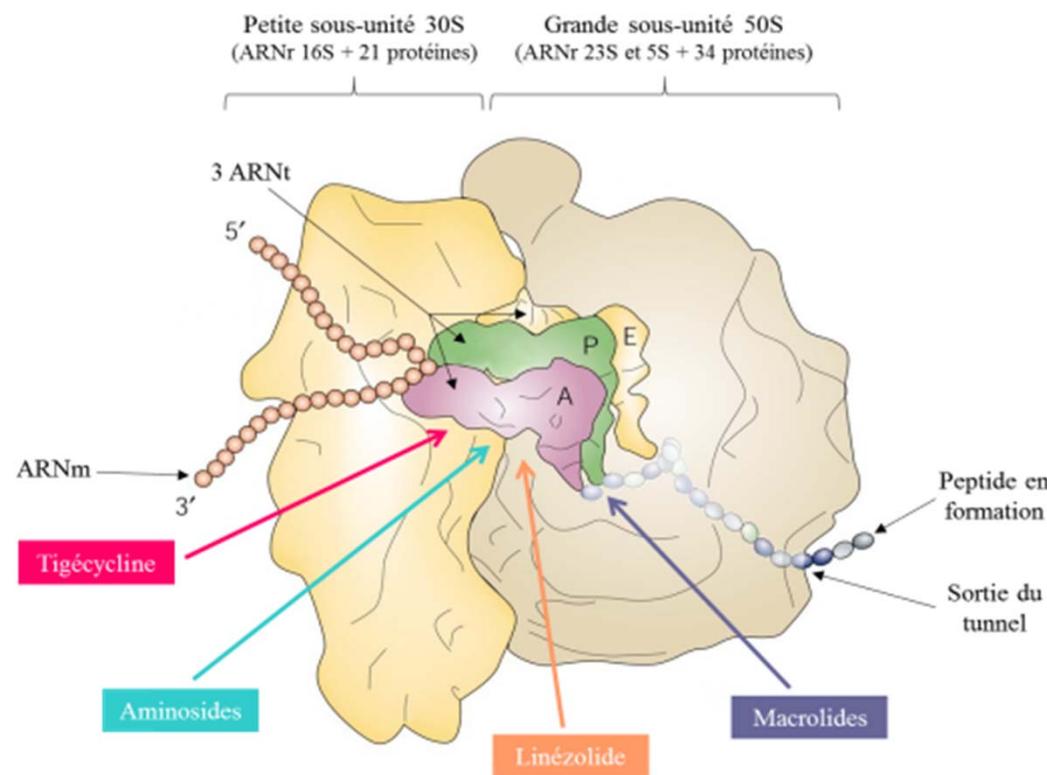
- 1) Aminosides**
- 2) Macrolides-lincosamides**
- 3) Cyclines**
- 4) Chloramphénicol**
- 5) Ac. Fusidiique**
- 6) Linézolide**

# Fonctionnement du ribosome



# Sites de fixation des antibiotiques





Diapo: A.L Lefebvre adapté de Lafontaine et Tollervey 2001

**Tigécycline (cycline):** inhibe la synthèse des protéines en se liant à la sous-unité 16S, près du site de décodage (= site « A »). Ceci bloque l'accès au site « A » pour l'ARNt

**Aminosides:** près du site de décodage (site « A »). Mauvaise reconnaissance du codon de l'ARN messager (ARNm) par l'ARN de transfert (ARNt) chargé, conduisant à des erreurs de traduction

**Linézolide:** liaison à la sous-unité l'ARNr 23S, au niveau du site de décodage (= site « A »). Mauvais positionnement de l'ARNt au site « A » et bloque la traduction

**Macrolides:** au début du tunnel de sortie du peptide en formation. Blocage de la chaîne peptidique. Le ribosome se dissocie du peptide en formation

# Résistance aux ATB actifs sur la synthèse protéique

## ➤ Modification de la cible par mutation

- Mutations dans la ARN 16 S pour les aminosides et les tétracyclines
- Mutations dans l'ARN 23S pour le linézolide

## ➤ Production d'une enzyme

- Méthylation de l'ARN 23S pour les macrolides
- Modification des aminosides (acétylation, ...)

## • Efflux

- Macrolides
- Tétracyclines

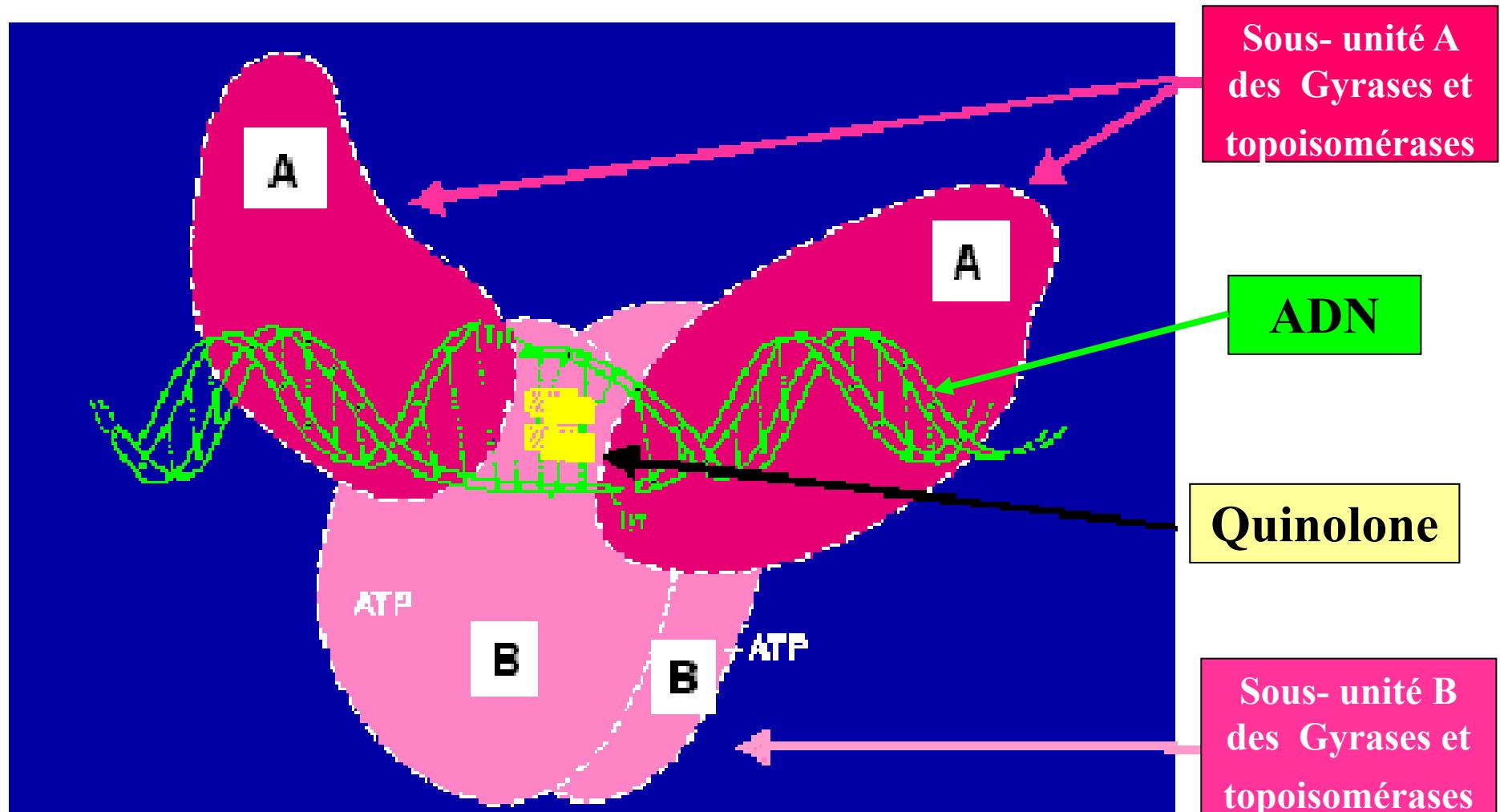
# **Antibiotiques actifs sur la synthèse des acides nucléiques**

**1) Quinolones**

**2) Rifampicine**

**3) Sulfamides - triméthoprime**

# Action des quinolones

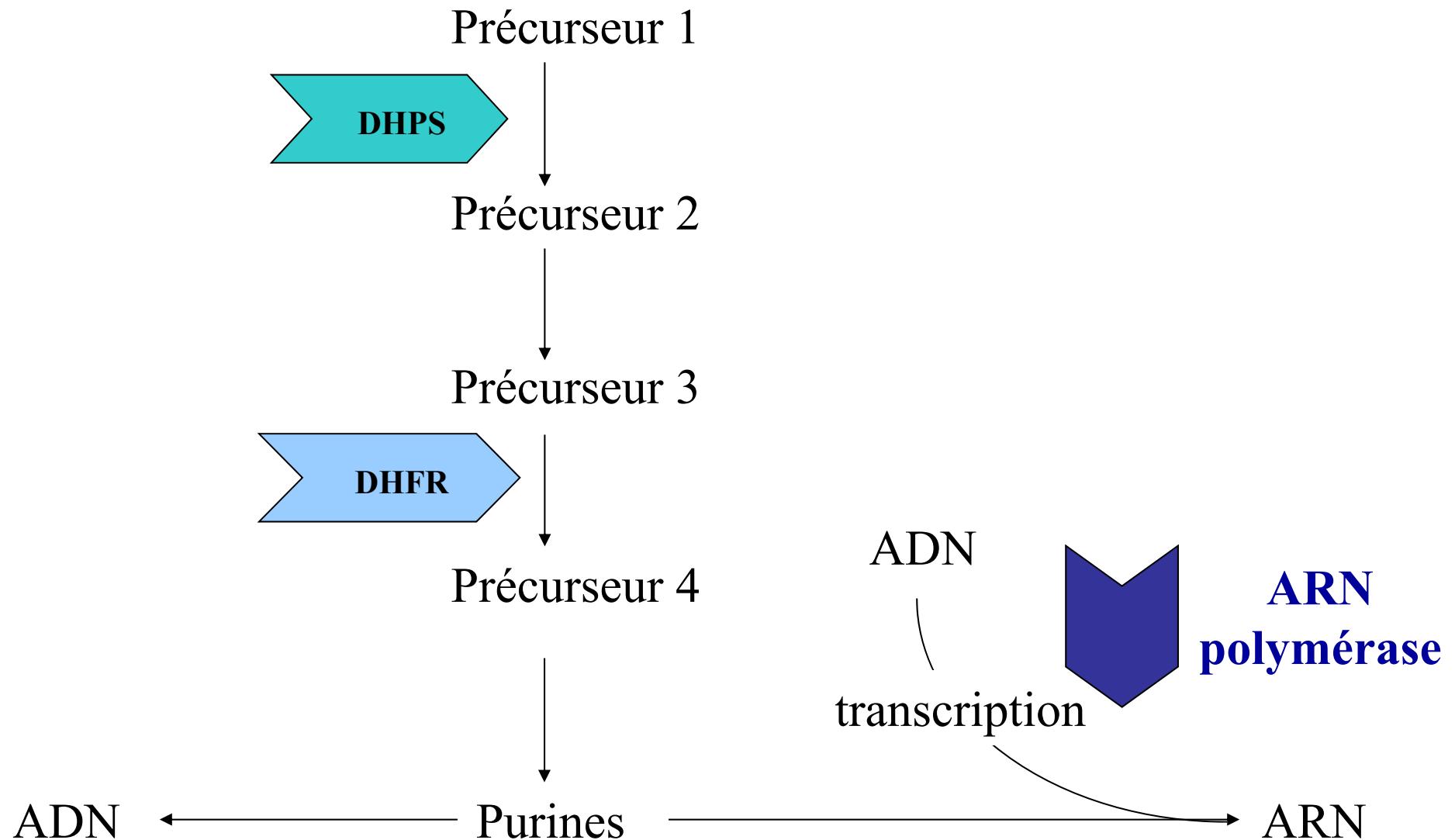


L'ADN gyrase: création des surenroulements négatifs dans l'ADN, favorisant un déroulement local de la double hélice d'ADN permettant ainsi la réplication

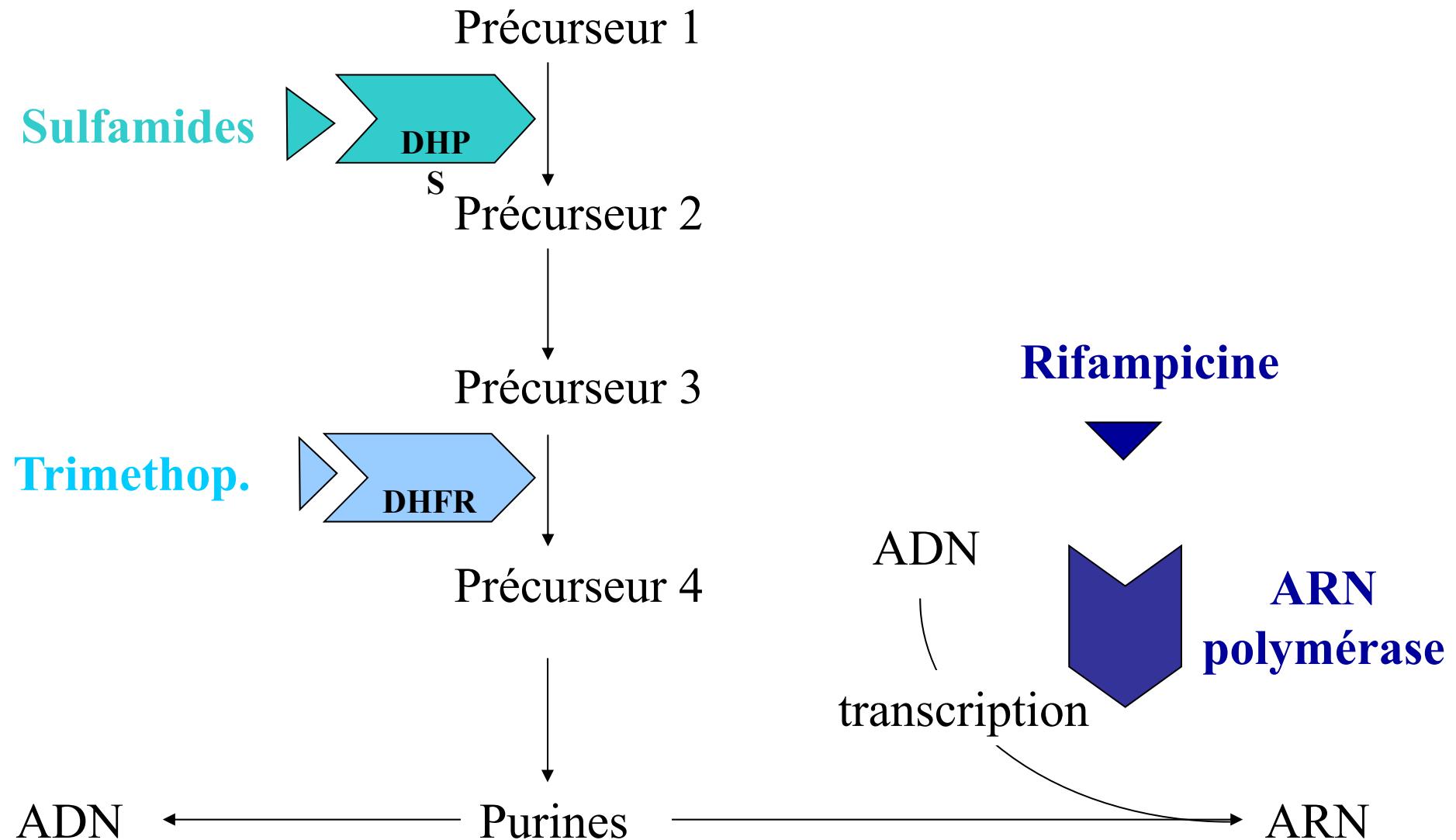
## Résistance aux quinolones

- Le plus fréquent : modification de la cible (gyrase et topoisomérase)
- Efflux
- Protection de la cible: protéines Qnr
- Inactivation enzymatique: Aminoside acétyltransférase

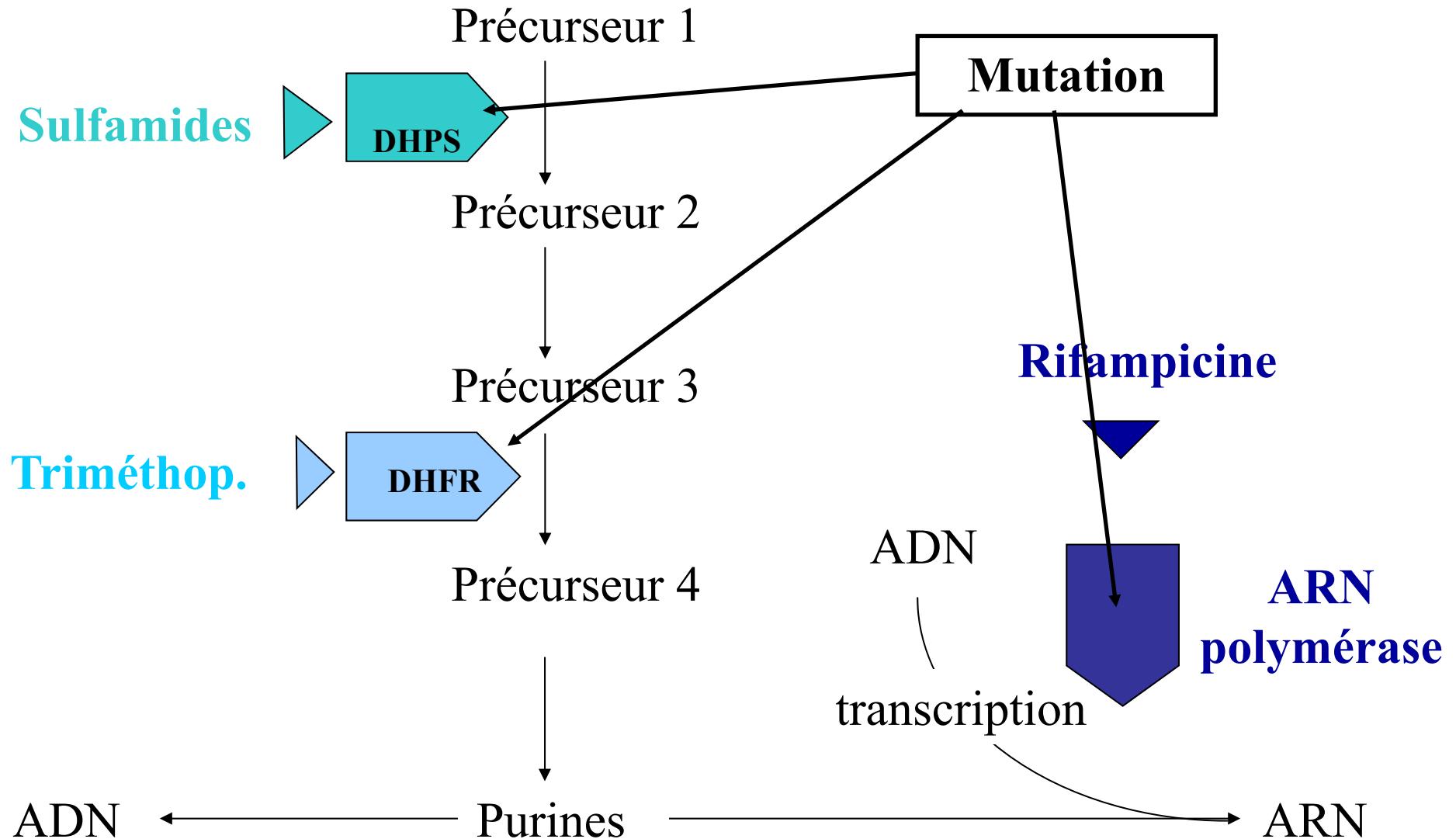
# Action sulfamides, triméthoprime et rifampicine



# Action sulfamides, triméthoprime et rifampicine



# Résistance aux sulf., triméth. et rifampicine



# Support de la résistance

- Gènes portés par des chromosomes
- Gènes portés par des plasmides
- Gènes portés par des transposons
- Conséquences
  - Transmission de bactéries à bactéries (plasmide et transposon)
  - Émergence de la résistance
  - Résistance multiple +++ par différents mécanismes pour une classe d'antibiotique et par différents mécanismes pour des classes différentes: bactéries multirésistantes

A 50-year old man developed a nosocomial pneumonia.  
An empiric treatment with piperacillin is begun.

The microbiological results of the protected brush specimen showed:  $10^4$  UFC/ml of *Staphylococcus aureus*

Penicillin: R

Piperacillin: S

Oxacillin (methicillin): S

All the other antibiotics: S

What do you think about this antibiogram?:

- \* True
- \* False

## ANSWER

\* FALSE

- Impossible antibiogram
- Strain **penicillin resistant = piperacillin resistant** due to the production of penicillinase.
- The activity is restored in presence of  $\beta$ -lactamase inhibitor as clavulanic acid or tazobactam

A 40 year-old man, with a mechanical mitral prosthesis, presented a catheter-related infection with positive blood cultures due to *Staphylococcus aureus*:

Penicillin R

Oxacillin (methicillin) R

Imipenem S

Kanamycin R

Tetracycline R

Vancomycin R

All the other antibiotics are  
resistant

What do you think about this antibiogram ?:

\* True

\* False

## ANSWER

\* FALSE

- Impossible antibiogram because:
- Oxacillin R due to the acquisition of additional PBP2a with a low affinity for methicillin
  - Oxacillin R = imipenem R
  - **Oxacillin R = resistant to all  $\beta$ -lactams**
- Is the strain really resistant to vancomycin ? (GISA ? High level resistance to vancomycin ?)

## MECHANISM OF RESISTANCE AND PHENOTYPE FOR *S.AUREUS*

---

Mechanism	Penicillin Ampicillin	Amoxi/Clav Pipe-tazobac	Oxacillin Methicillin	Hospital	Community
0	S	S	S	< 5 %	5-10 %
Penicillinase	R	S	S	> 95 %	90-95 %
Methi resistant + Penicillinase	R	R	R	2-40 %	< 1 %

# Clinical isolates with decreased susceptibility to vancomycin

- **1996:** Japan (Hiramatsu *et al*, JAC 1997)
  - MIC: 8 µg/ml vanco, 16 µg/ml teicoplanin
  - Heterogeneous resistance :  $10^{-6}$  (Lancet, 1997)
    - 1.3 to 20% in Japanese hospitals
- **Since 1997:** USA, United-kingdom, France, Spain, and many other countries
- **In Europe:** true incidence not known but seems lower (0.5 to 1.5 %) in absence of outbreak
  - (Schmitz *et al.*, 1999; Chesneau *et al.*, 2000; Marchese *et al* ; 2000; Reverdy *et al.*, 2001)

# Clinical isolates with decreased susceptibility to teicoplanin

- MICs: 8-16 µg/ml for teicoplanin/ 2-4 for vancomycin
- **1988:** Brunet *et al* (Eur J Clin Microbiol, 1990)
- **1989:** Kaatz *et al* (J Infect Dis, 1990), Vedel *et al* (Eur J Clin Microbiol, 1990)
- **1992-1993:** Mainardi *et al* (J Infect Dis, 1995)

# Le risque majeur chez *S. aureus*: acte 1

- *Infection with vancomycin-resistant *Staphylococcus aureus* containing the vanA resistance gene*
  - **CMI de la vancomycin: 1024 µg/ml**
    - Présence du gène *vanA*
    - Présence de *E. faecalis* avec gène *vanA*
  - Sensibilité aux : Chloramphénicol, Linézolide, Minocycline, Synercid<sup>R</sup>, triméthoprime-sulfaméthoxazole
  - *Chang et al, N Engl J Med 2003;348:1342-7.*

# Le risque majeur chez *S. aureus*: acte 2

## Transferable Vancomycin Resistance in a Community-Associated MRSA Lineage

- Brazilian patient with a bloodstream infection caused by MRSA **but susceptible to vancomycin**
- Acquisition *vanA* gene cluster during vancomycin therapy and became resistant to vancomycin
- Phylogenetically related to MRSA lineage USA300.
- A conjugative plasmid of 55,706 bp (pBRZ01) carrying the *vanA* cluster was identified and readily transferred to other staphylococci.

– Rossi et al, *N Engl J Med* 2014; 370:1524-31

# What do you think about this antibiogram of *Staphylococcus aureus* ?

Oxacillin (methicillin) R

Kanamycin R

Gentamicin S

Tobramycin R

Amikacin S

Netilmicin S

\* True ?

\* False ?

# What do you think about this antibiogram of *Staphylococcus aureus* ?

Oxacillin	R
Kanamycin	R
Gentamicin	R
Tobramycin	R
Amikacin	R
Netilmicin	S

\* True ?

\* False ?

## ANSWER

- \* FALSE
- Impossible phenotype because:
- **Kanamycin resistant = Amikacin resistant**

## ANSWER

- \* FALSE
- Impossible phenotype because:
- **Gentamicin resistant = resistant to all aminoglycosides, except streptomycin**

		Phenotype	Enzyme
GENTA S	K	K (A)	APH3'
	KT	KT (A)	ANT 4', 4''
GENTA R	KGT	KGT (A)	AAC6' + APH2''

HEGP 2013: 99 % Genta sensible (94% chez les SARM)

A methicillin-resistant strain of  
*Staphylococcus aureus* is interpreted as:

Pefloxacin R

Ciprofloxacin S

Norfloxacin S

Levofloxacin R

Is it true ?

or false ?

## ANSWER

- \* FALSE
- Impossible phenotype because:
- **Cross-resistance for all fluoroquinolones** in *S. aureus*
- Alterations of the same target (DNA gyrase)

What is the percentage of *S. aureus* resistant to fluoroquinolones in hospital ?

- 10 %

- 30 %

- 60 %

- 90 %

## ANSWER

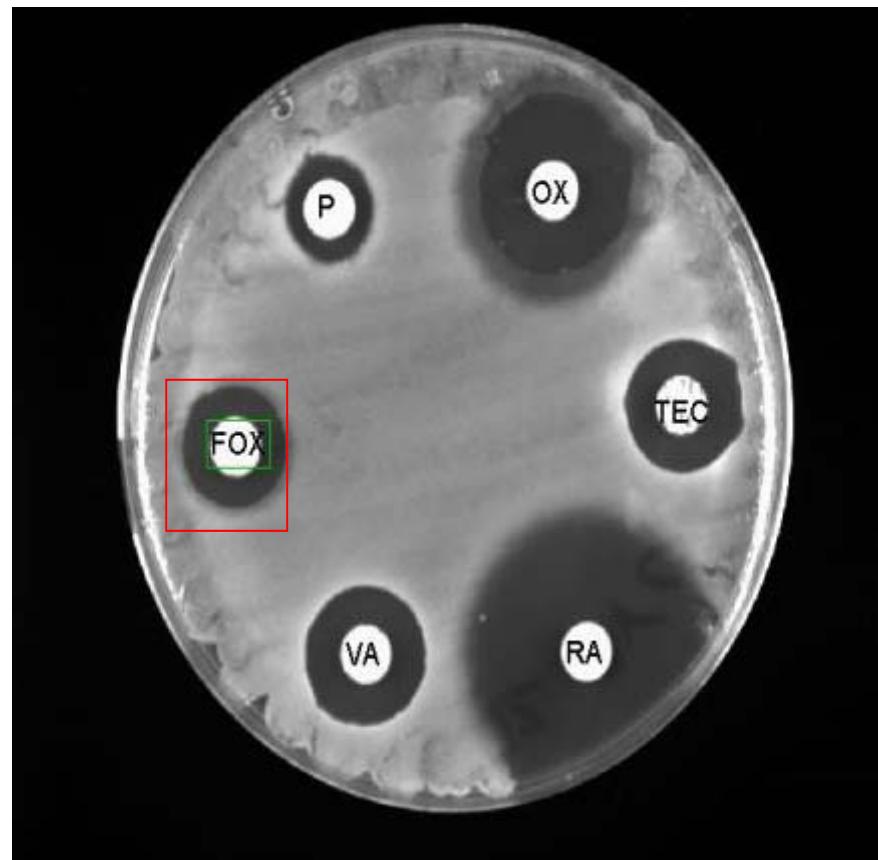
- Hospital : depending the percentage of methicillin resistance
  - 12 to 20 % in France

What is the percentage of *S. aureus* resistant to fluoroquinolones in the community ?

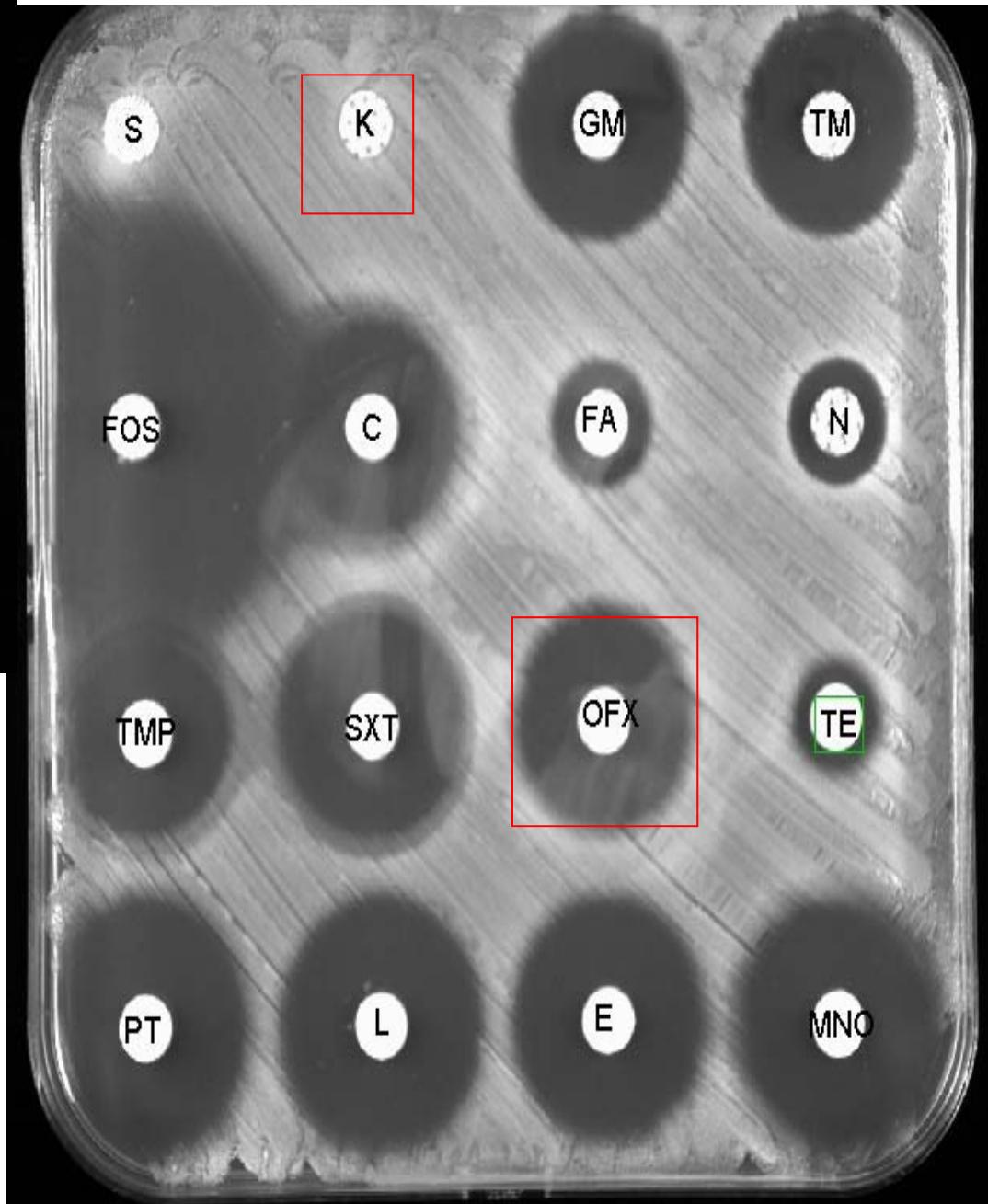
- < 10 %
- 30 %
- 60 %
- 90 %

## ANSWER

- Community: < 10%



**SARM-communautaire**



# What do you think about this antibiogram of *Enterococcus faecalis* ?

Amoxicillin	S
Cephalotin (1ère génération)	S
Gentamicin	S
Erythromycin	S
Clindamycin	R
Vancomycin	S

Is it true or false ?

## ANSWER:

- FALSE
- Impossible phenotype because :
- Enterococci are naturally resistant to cephalosporins
- Enterococci are naturally resistant to aminoglycosides (low level: MIC 0.5-2 µg/ml)

True concerning the clindamycin

Among these different bacteria species, which of these are  
**naturally** resistant to vancomycin ?

*Enterococcus faecium*

*Enterococcus gallinarium*

*Enterococcus casseliflavus*

*Enterococcus faecalis*

*Escherichia coli*

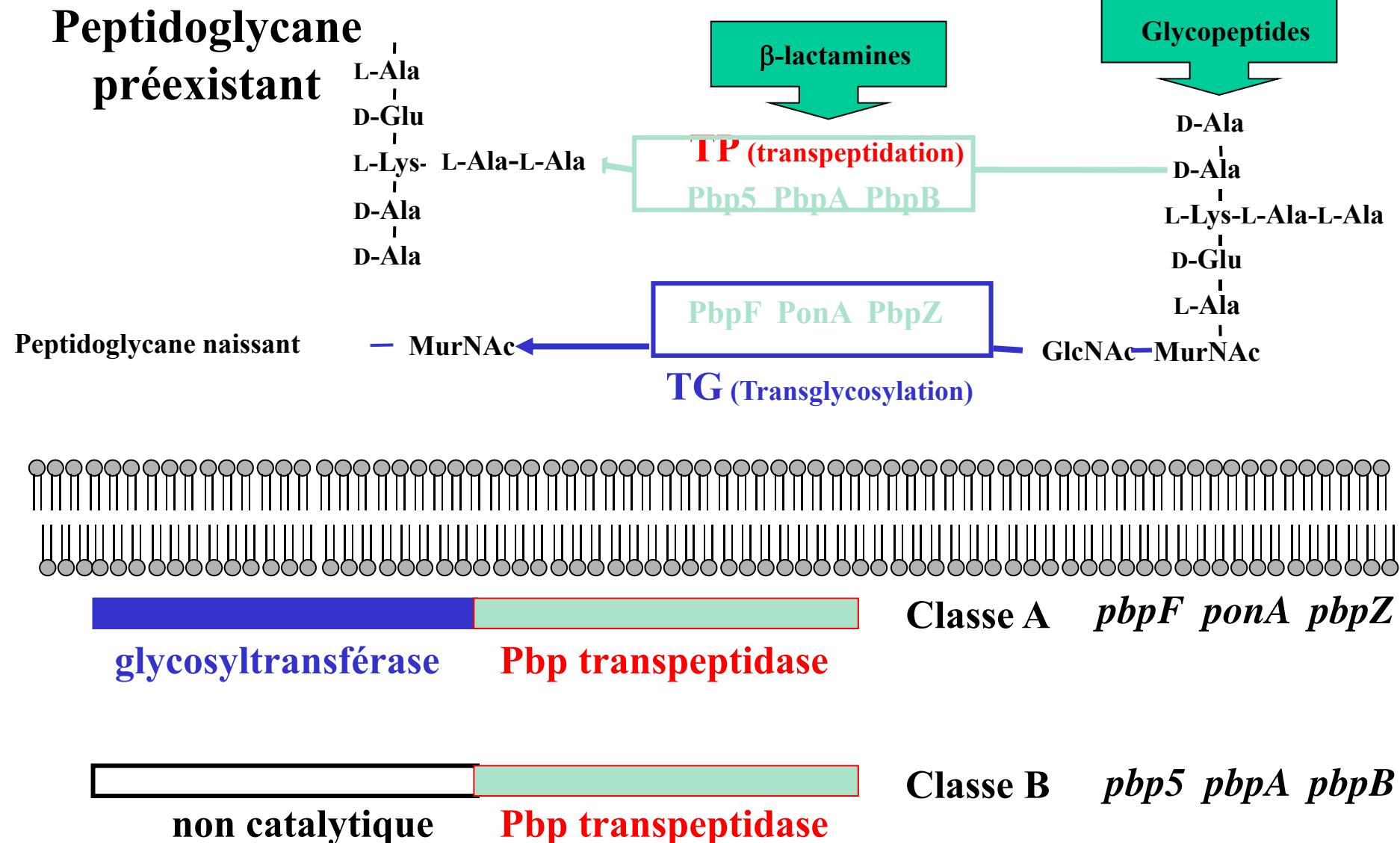
## ANSWER

*Enterococcus gallinarium*

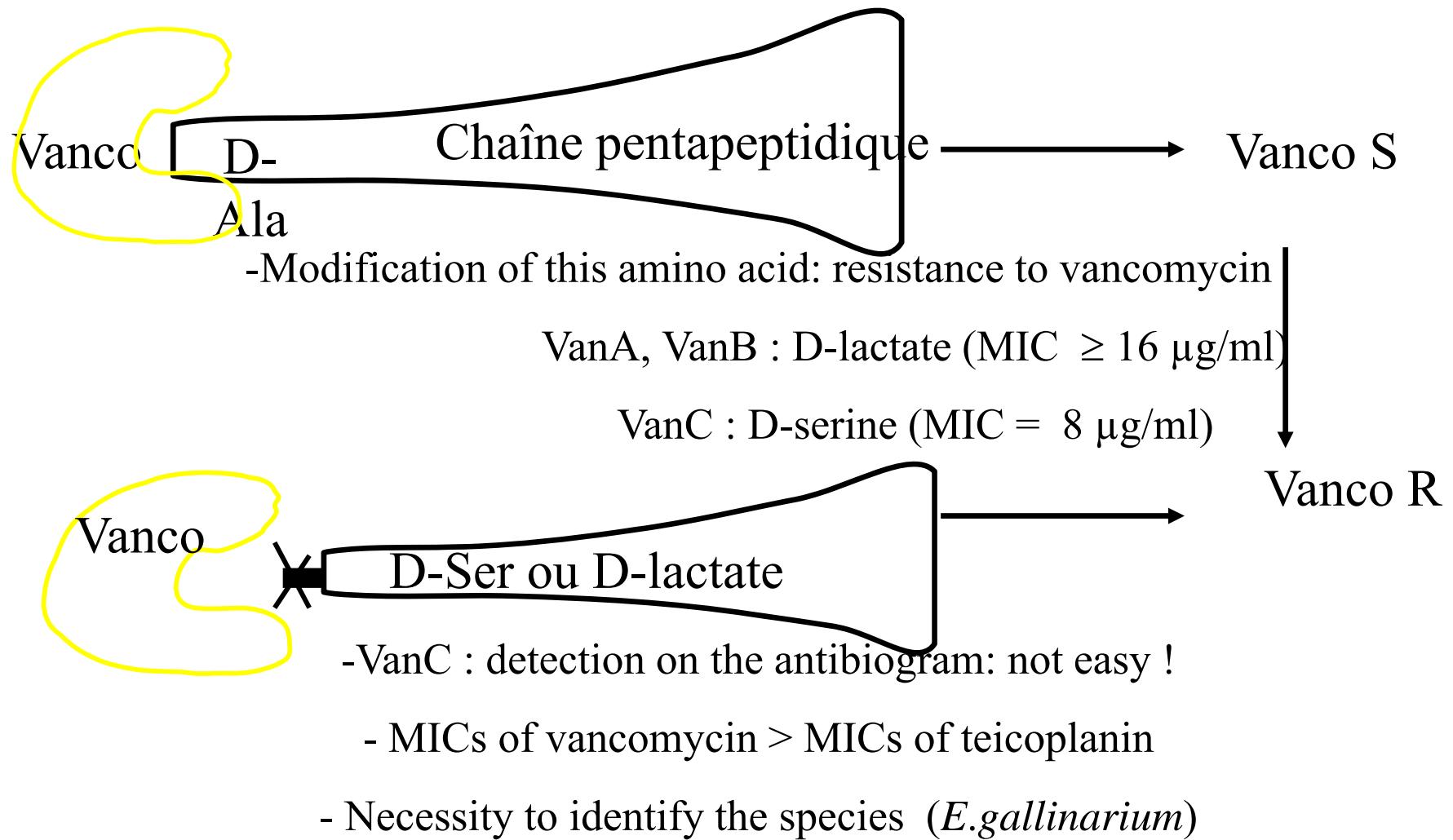
*Enterococcus caselliflavus*

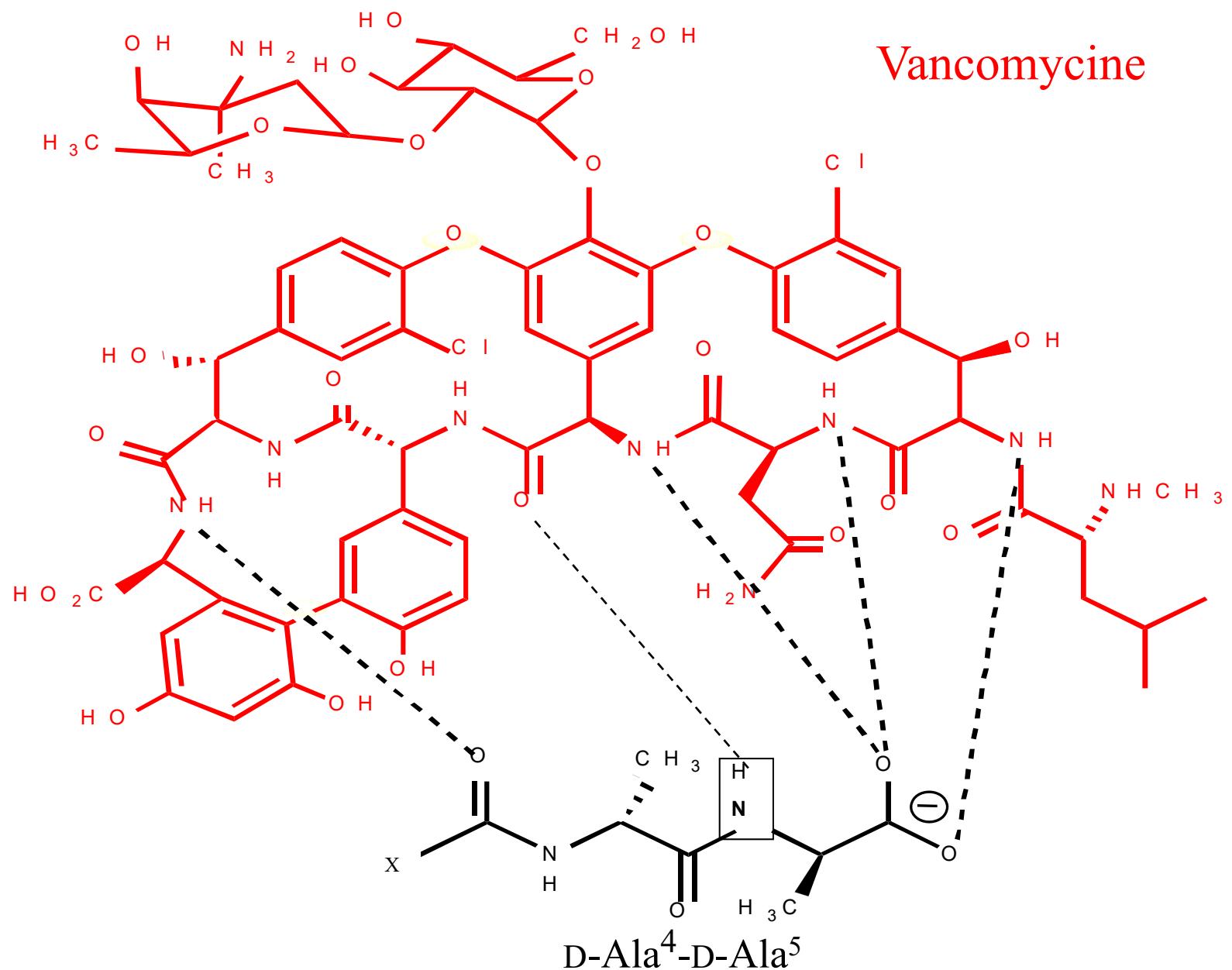
*Escherichia coli*

# Polymérisation du peptidoglycane chez *Enterococcus faecalis*



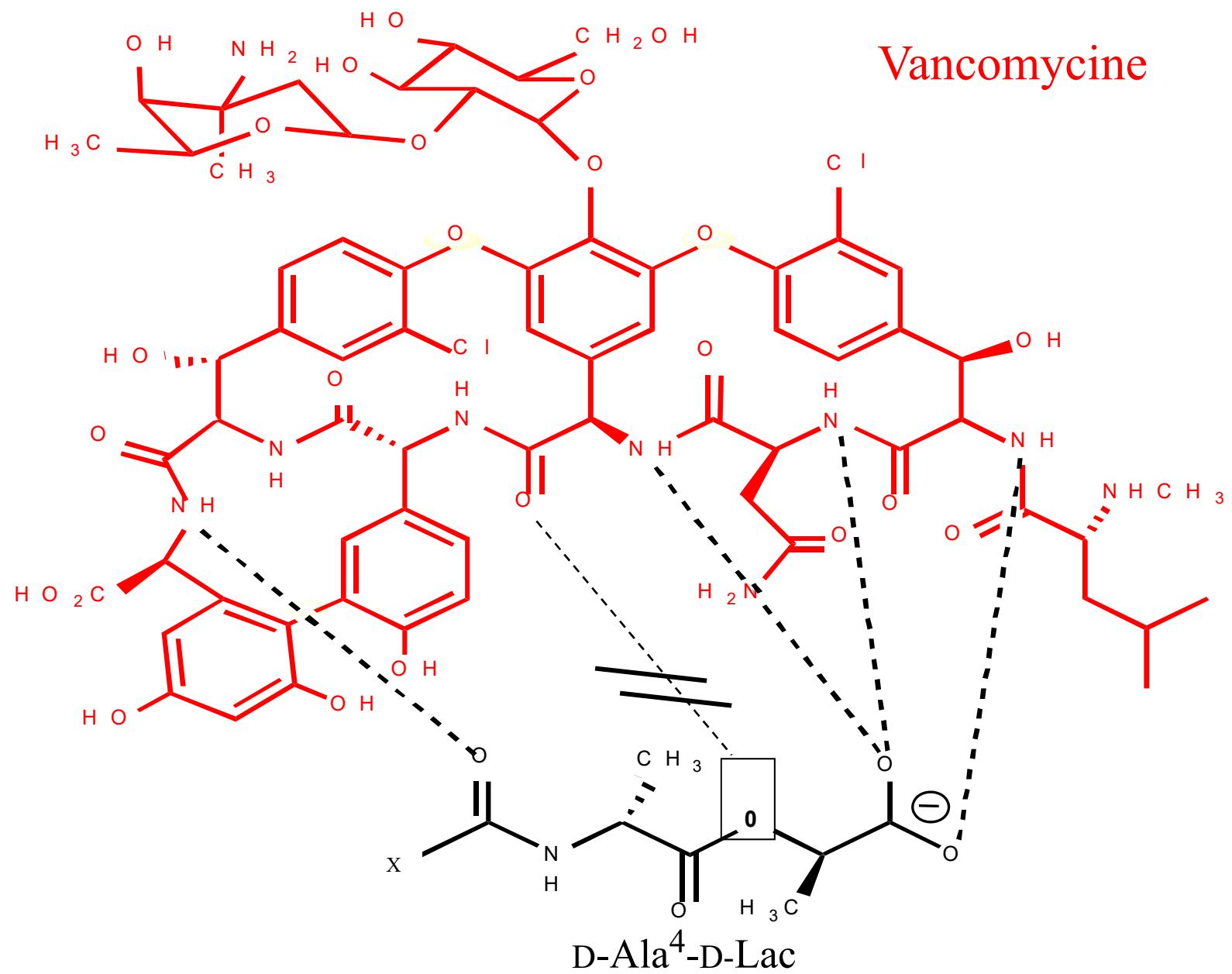
- Normal C-terminal amino acid of the pentapeptide chain of the peptidoglycan: D-alanine: Vanco S

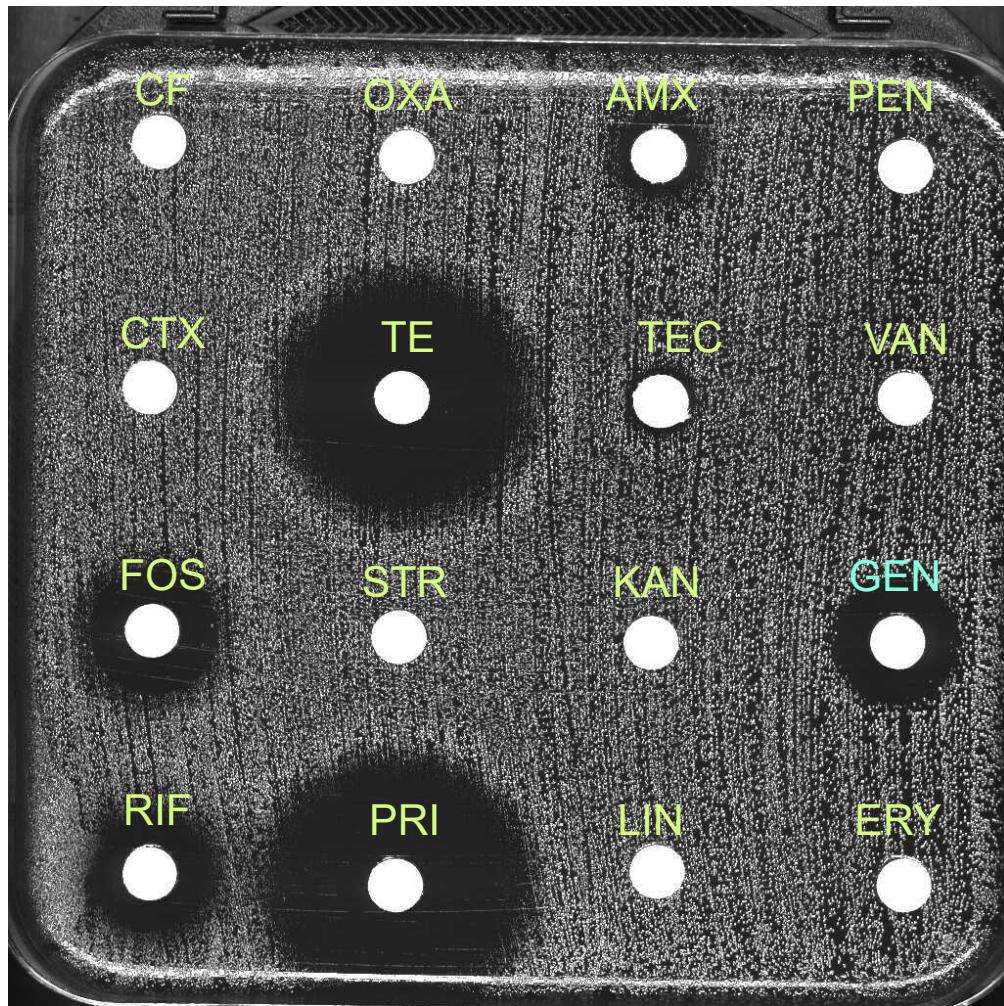




# Vancomycine

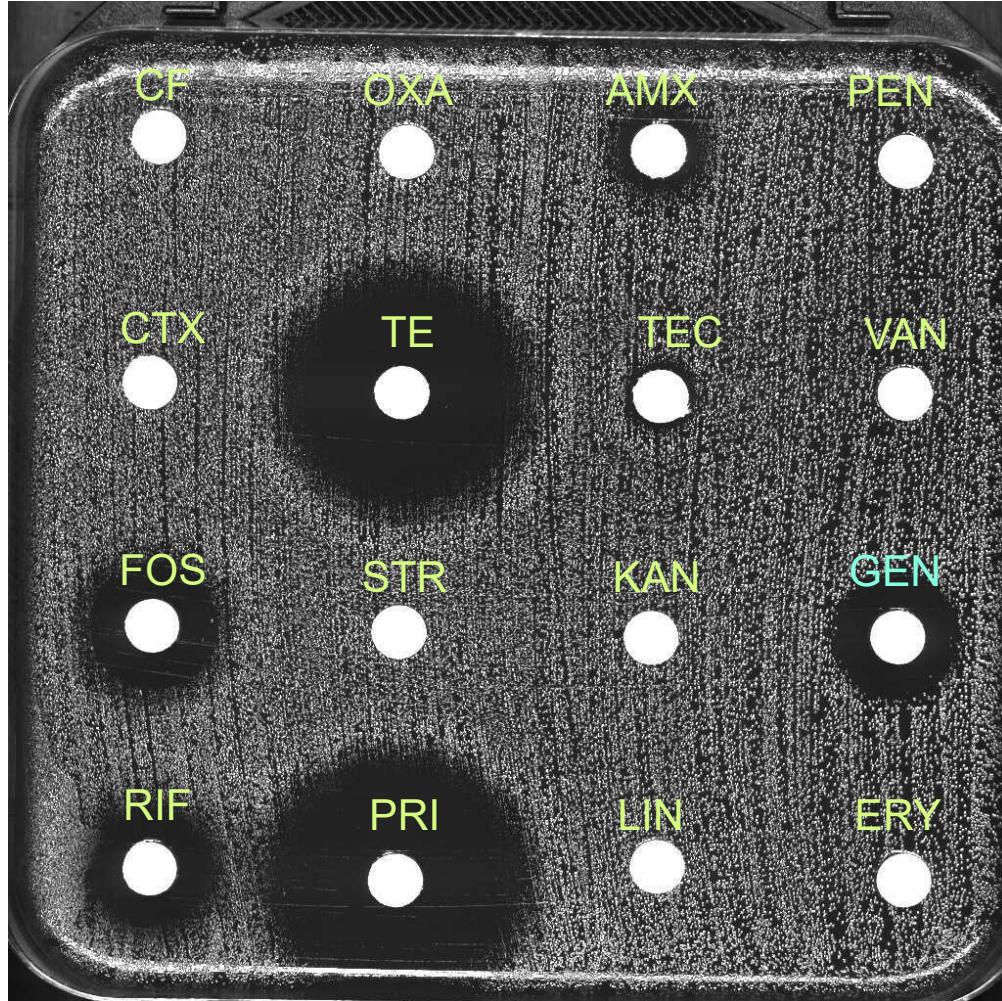
Vancomycine





## *Enterococcus sp.*

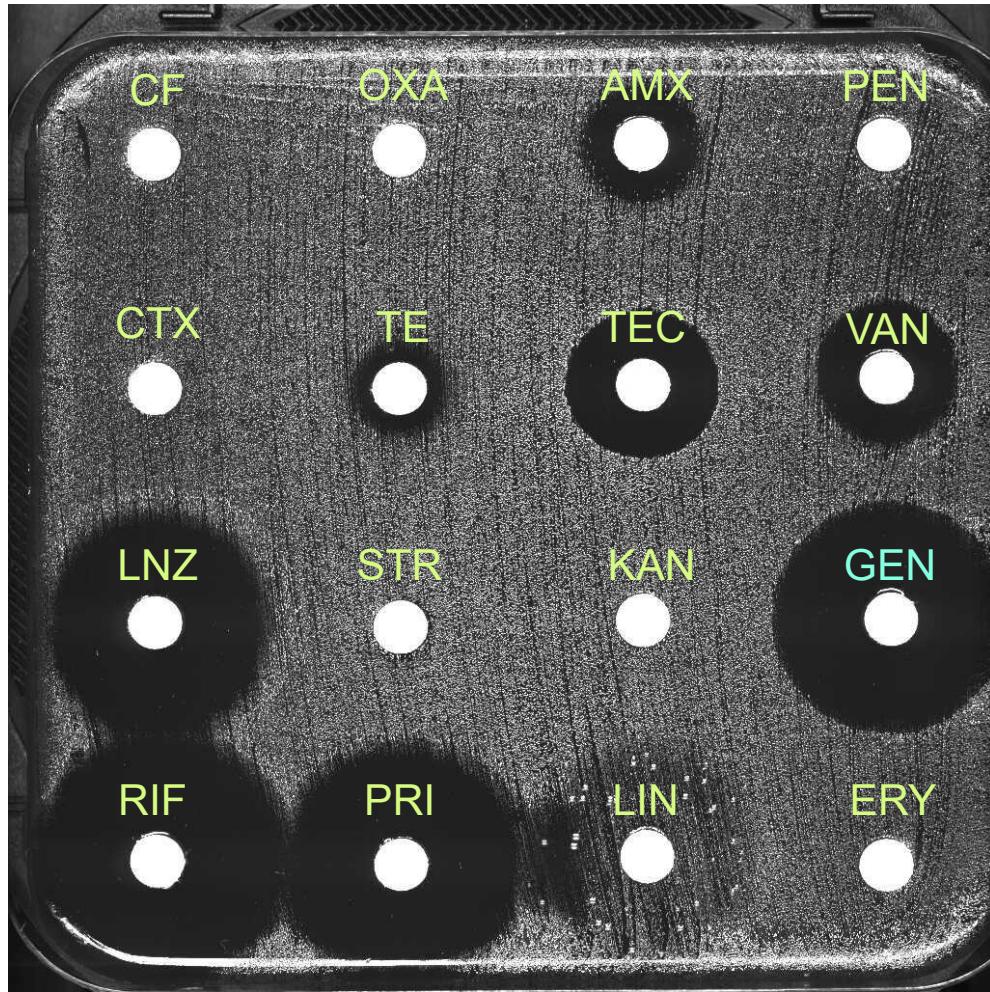
D'après les mécanismes de résistance, de quelle espèce d'entérocoque s'agit-il?



## *Enterococcus faecium*

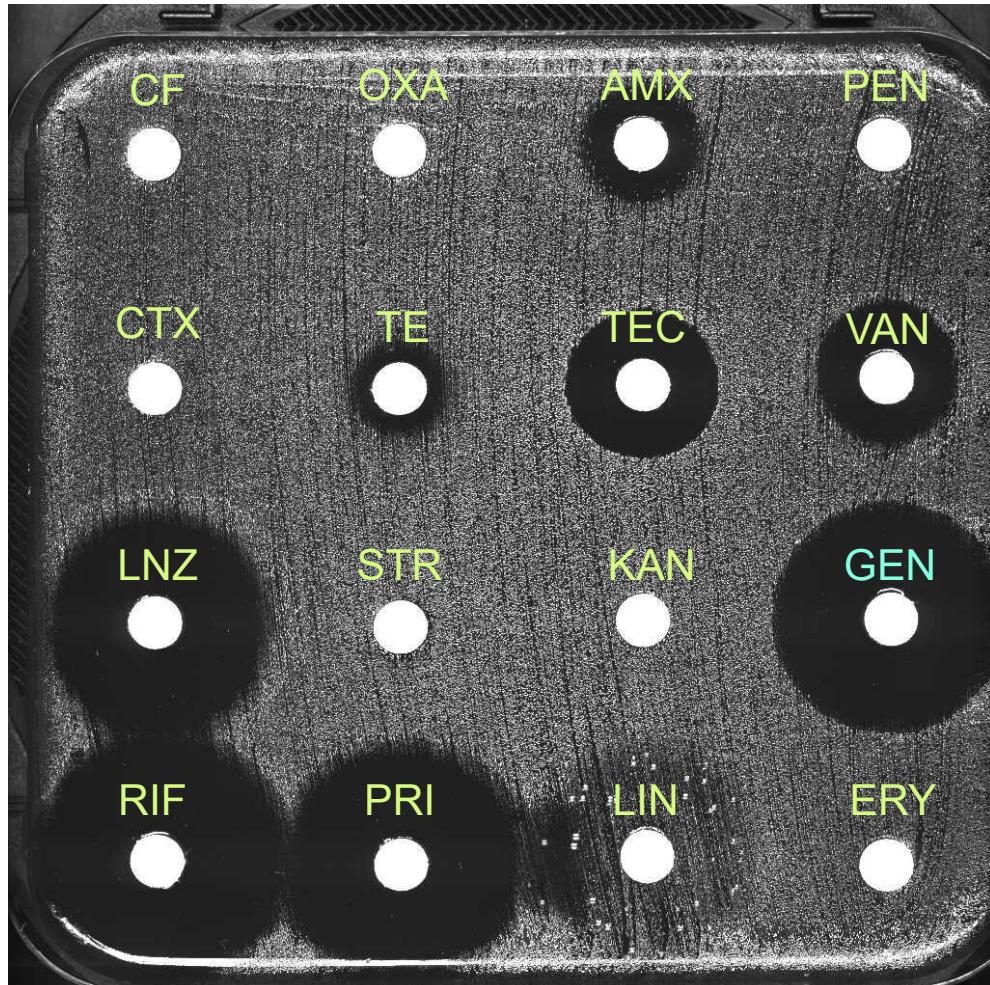
Car résistant à l'amoxicilline et sensible à la pristinamycine.

Résistant aux glycopeptides: phénotype VanA très probable



## *Enterococcus faecium*

Quels mécanismes de résistance avez-vous détecté ?



## *Enterococcus faecium*

Résistant à l'amoxicilline

Haut niveau de résistance à la kanamycine (amikacine)

Résistance macrolides,  
lincosamines (MLSB)

Résistance aux cyclines

Résistance aux glycopeptides  
(VanB probable)

# *Streptococcus pneumoniae*

What do you think about this resistant phenotype ?

Penicillin R

Chloramphenicol S

Cotrimoxazole S

Tetracycline S

Erythromycin S

Is it possible ?

- Yes ?

- Not ?

## ANSWER

- Yes
- Possible phenotype because some strains present an isolated resistance to penicillin

## *Streptococcus pneumoniae*

The frequency of resistance in adults in invasive infections is :

- Tetracycline	25 %
- Erythromycin	30 %
- Chloramphenicol	5 %
- Cotrimoxazole	10 %
- Fosfomycine	0,1 %
- Rifampin	0,2 %

# **Concernant la résistance aux bêta-lactamines chez les pneumocoques**

- L'imipénème est toujours plus actif *in vitro* que l'amoxicilline?**
- Les céphalosporines de troisième génération peuvent être moins actives que l'amoxicilline**

## **Concernant la résistance aux bêta-lactamines chez pneumocoque**

**-L'imipénème est toujours plus actif que l'amoxicilline?**

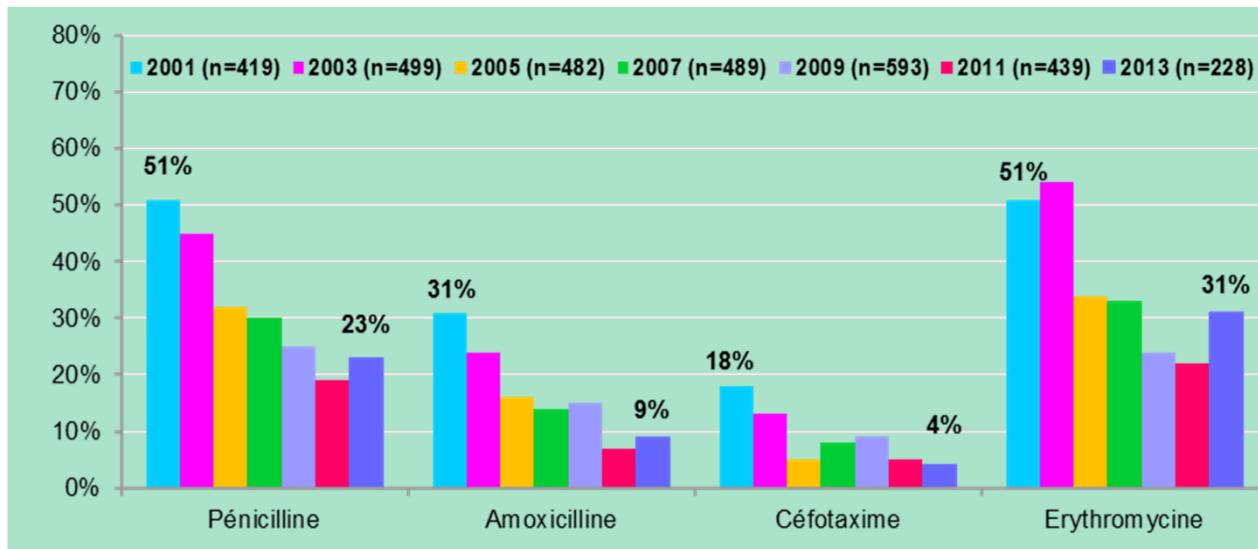
**Oui**

**-Les céphalosporines de troisième génération peuvent  
être moins sensibles que l'amoxicilline**

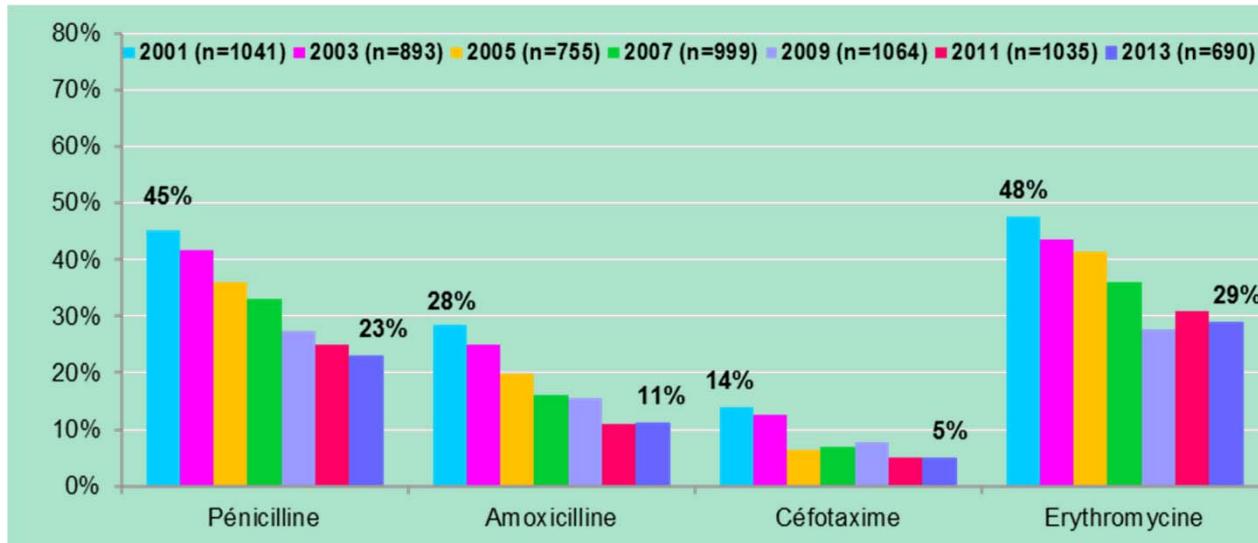
**Oui ceftriaxone: 8/32 Péni 0.25/2-4**

**Moralité: antibiogramme et CMI**

# Evolution globale de la résistance dans les infections invasives



ENFANTS



ADULTES

E. Varon, RICAI 2014

Que pensez vous de cet  
antibiogramme chez *S. pneumoniae* ?

	1	2
Erythromycin/Roxythomycin (C14)	R	R
Azithromycin (C15)	R	S
Spiramycine /Josamycine (C16)	R	S
Clindamycin	R	S
Télithromycin	S	S

- Vrai ou faux ?

	<b>MLSb</b>	<b>Mef <i>efflux</i></b>
France	51%	3-5 %
Italy		5-26 %
Usa		61 %
Macrolides 14, 15	R	R
Macrolides 16	R	S
Lincosamides	R	S
Ketolides	S	S
Streptogramin (A + B)	S	S

Chez *S. pneumoniae* quel est l'ordre d'activité croissante  
*in vitro* des différentes fluoroquinolones ?

Ciprofloxacine

Péfloxacine

Lévofloxacine

Ofloxacine

Moxifloxacine

Ordre d'activité croissante *in vitro* des différentes fluoroquinolones chez *S. pneumoniae*:

Péfloxacine 8

Ciprofloxacine 2

Ofloxacine 1/2

Lévofloxacine 0.5/1

Moxifloxacine 0.25

**Les mécanismes de résistance aux quinolones sont ils liés à la présence de:**

- Une ou plusieurs enzymes détruisant les Fluoroquinolones ?**
- Mutation(s) dans la cible avec diminution d'affinité ?**
- Efflux ?**

## **Les mécanismes de R sont ils liés à la présence de:**

**-Une ou plusieurs enzymes détruisant les Fqs ?**

- **Bifunctional acetyltransferase : AAC(6')-Ib-cr**

Confers reduced susceptibility to aminoglycosides and fluoroquinolones (MIC of ciprofloxacin increased 3 fold)

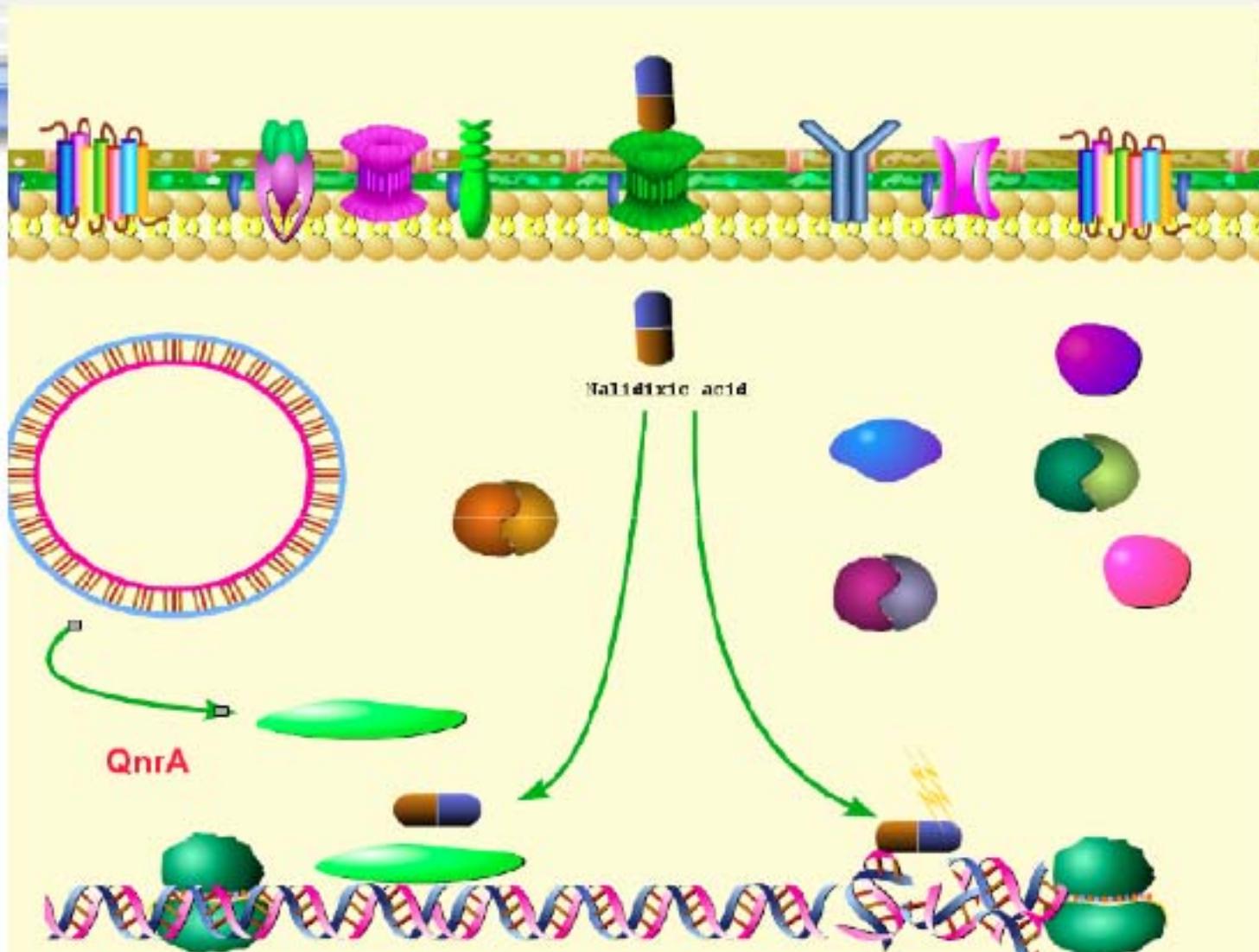
**(Robicsek *et al.* Nat Med 2006)**

**-Mutation(s) dans la cible avec diminution d'affinité ?**

**ADN Gyrase**

**-Efflux-perméabilité ? Oui**

## Mechanism of Qnr action



Diapositive P. Nordmann

A 30 year-old woman is treated for a pyelonephritis due to *klebsiella pneumoniae*. The antibiogram is :

Ampicillin R

Ticarcillin R

Cephalotin (1st generation cephalosporin) S

Piperacillin S

The patient is treated by piperacillin, the fever persist, and the white blood count is 12 000/mm<sup>3</sup>.

Are you surprised ?

- YES ?

- NO ?

## ANSWER

- No
- Impossible phenotype because:
  - *K. pneumoniae* harbor a natural chromosomal penicillinase for which piperacillin is a substrate

A protected brush specimen yield with  $> 10^3$  UFC/ml of *Enterobacter cloacae* during a nosocomial pneumonia.

The antibiogram is:

Ampicillin R

Ticarcillin S

Cephalotin (1st generation cephalosporin) S

A treatment with cephalotin is begun because the patient is allergic to penicillin. The evolution is bad.

Are you surprised ?

-YES ?

- NO ?

## ANSWER

- NO, the phenotype is impossible because *E. cloacae* produce a natural chromosomal cephalosporinase.
- Ampicillin and 1st generation cephalosporins are natural substrates for the cephalosporinases

## $\beta$ -LACTAMASE

---

### *Plasmidic*

---

TEM

SHV

OXA

PSE

$\beta$ LSE [Cefotaximase...]

Penicillinase de *S.aureus*

Carbapenemase

---

### *Chromosomal*

---

Céphalosporinase

Cefuroximase

Penicillinase de *S.aureus*

SHV (*Klebsiella*)

## $\beta$ -lactamases most frequently present in clinical isolates

### Penicillinases

Natural : *klebsiella*

TEM +++

Plasmidic : SHV ++

Enterobacteria

### Cephalosporinases

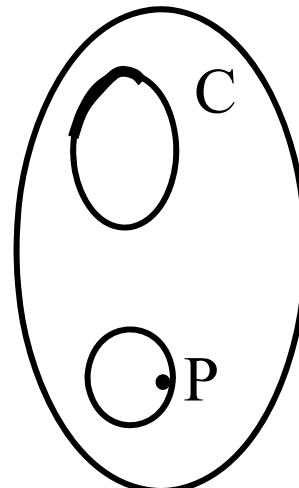
Natural : *E. cloacae*

*Citrobacter*

*Serratia*

*Pseudomonas*

Plasmidic: yes, but rare



*E. COLI*

What do you think about this antibiogram ?

Ampicillin R

Ticarcillin R

Cephalotin (1st generation cephal) I  
Amoxicillin- clavulanic acid I

Possible ?

- YES
- NO

**ANSWER :**

- YES

- Possible: the strain hyperproduces a penicillinase

*E. COLI*

Ampicillin R

Ticarcillin R

Cephalotin (1st generation cephalosporin) S

Amoxicillin- clavulanique acid R

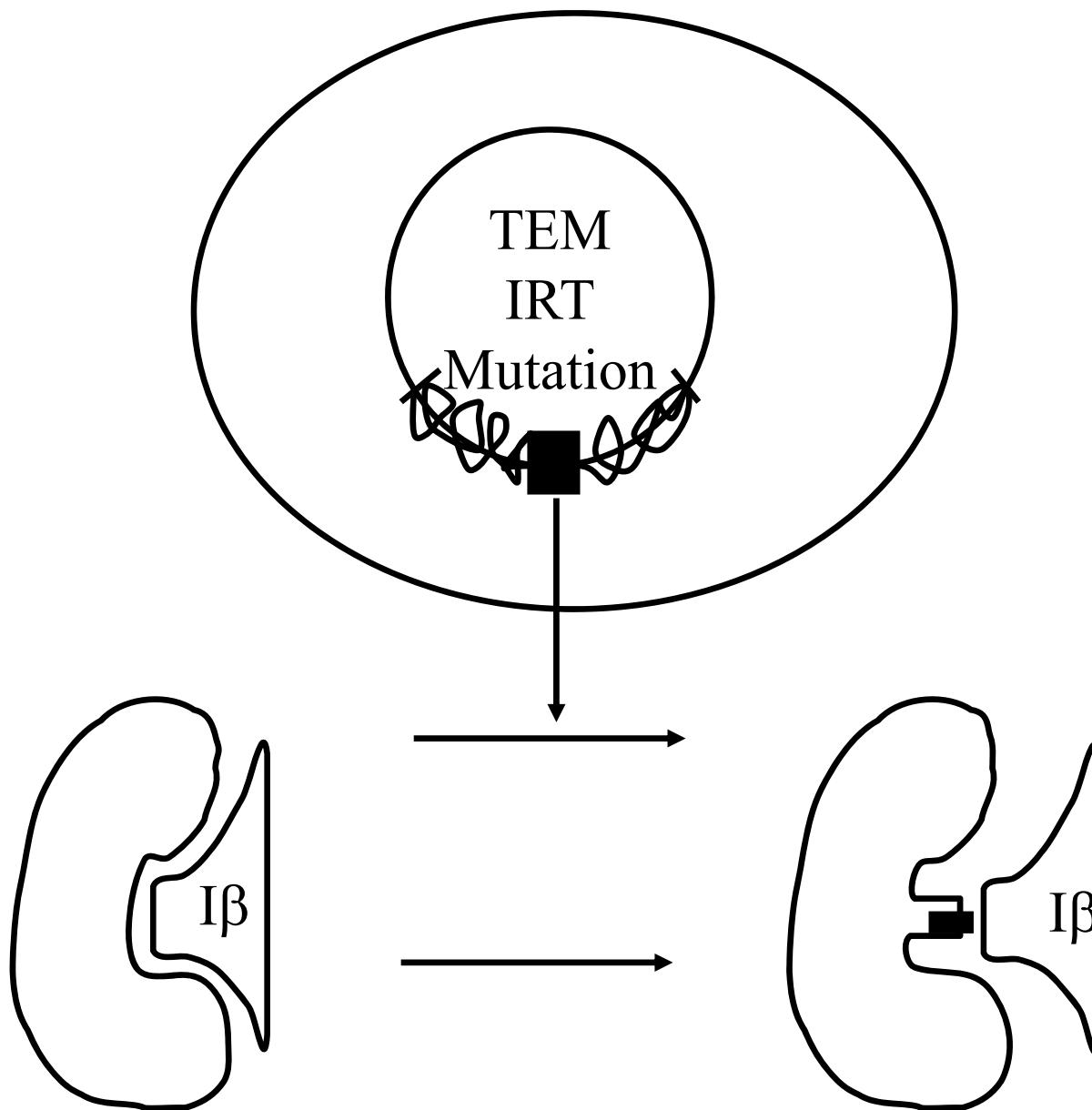
Possible ?

-YES ?

- NO ?

## ANSWER

Possible: IRT (inhibitor resistant TEM) strain



## Complete the Table

Species	Amox	Ticar	Amox -clav	1 <sup>st</sup> Cephal	Cefox	Cefotax	Ceftaz
<i>E.coli</i>	S	S	O	S	O	S	S
<i>K.pneumoniae</i>	R	R	S	R	S	R	O
O	R	S	R	R	R	S	S
<i>E.coli</i>	R	O	I	I	S	O	S
O	R	S	S	R	S	S	S

## ANSWERS

---

Species	Amox	Ticar	Amox -clav	1 <sup>st</sup> Cephal	Céfox	Cefotax	Ceftaz
<i>E. coli</i>	S	S	<b>S</b>	S	<b>S</b>	S	S
<i>K. pneumoniae</i>	R	R	S	R	S	S ou R	<b>S ou R</b>
<i>E. cloacae</i>	R	S	R	R	R	S	S
<i>E.coli</i>	R	<b>R</b>	I	I	S	<b>S</b>	S
<i>P. vulgaris</i>	R	S	S	R	S	S	S

---



Photographie N° 7

*Escherichia coli* après transfert de la pénicillinase  
TEM-2 et de la BSE TEM-24 du *Proteus* ci-dessus.

AMX	TIC	MOX	FOX
PIP	AMC	CF	MA
IPM	CTX	ATM	TCC
TM	GM	AN	CAZ

• CA-SFM ≤ 2010 :

« Interpréter I un résultat S à toutes les céphalosporines sauf les céphamycines (céfoxitine et céfotétan) et à l'aztréonam en présence d'une synergie significative entre au moins l'une des C3G ou l'aztréonam et amoxiclav. Ce phénotype est évocateur d'une BLSE. »

• CA-SFM 2011 :

« Les concentrations critiques désormais retenues pour les C3G permettent la catégorisation clinique des souches productrices de  $\beta$ -lactamases hydrolysant ces molécules comme, par exemple, les BLSE et dispensent donc d'interpréter les résultats pour des raisons thérapeutiques. »

	CA-SFM 2010		CA-SFM 2012	
	S	R	S	R
ceftriaxone	≤ 1	> 2	≤ 1	> 2
céfotaxime	≤ 1	> 2	≤ 1	> 2
ceftazidime	≤ 1	> 8	≤ 1	> 4
céf épime	≤ 1	> 8	≤ 1	> 4
aztréonam	≤ 1	> 8	≤ 1	> 8

CMI à déterminer  
? 2

## Complete the Table with S, I and R

	Cefotaxime	ceftazidime	cefepime	cefprirome	Imipenem
<i>P. aeruginosa</i>					
<i>E. cloacae</i>					
<i>E. cloacae</i> hyperproducing cephalosporinase					
<i>K. pneumoniae</i>					
<i>K. pneumoniae</i> + ESBL					

	Cefotaxime	Ceftazidime	Cefepime	Cefpirome	Imipenem
<i>P. aeruginosa</i>	R	S	S	I/S	S
<i>E. cloacae</i>	S	S	S	S	S
<i>E. cloacae</i> hyperproducing cephalosporinase	R	R	S	S	S
<i>K. pneumoniae</i>	S	S	S	S	S
<i>K. pneumoniae</i> + ESBL	S ou R	S ou R	S ou R	S ou R	S

The antibiogram of a *Pseudomonas aeruginosa* strain responsible for a nosocomial urinary tract infection is as follow:

Ticarcillin S

Piperacillin S

Ceftazidime S

Imipenem I

Is it possible ?

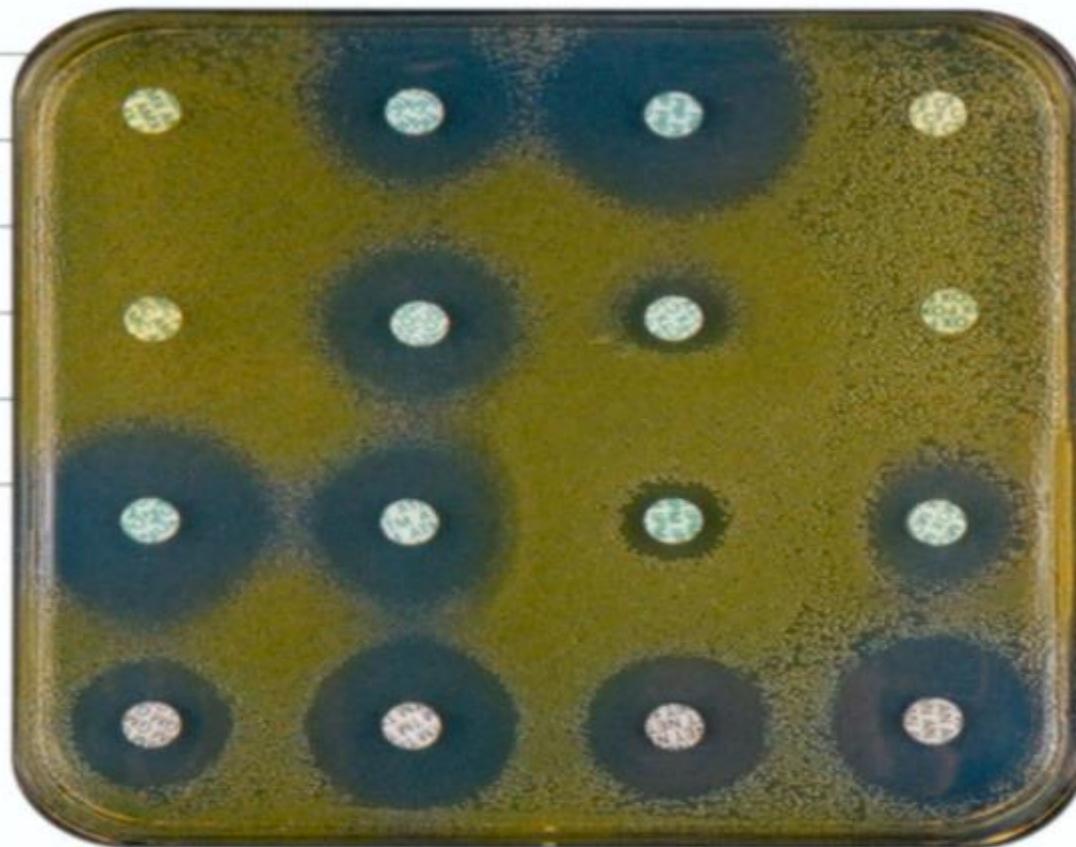
- YES or

- NO

## ANSWER :

- Possible phenotype
- Resistance to imipenem due to the association of the loss of one specific porin (D2) and the production of cephalosporinase

## Boîte 7



AMX  
AMC  
CAZ  
GM

TIC  
TCC  
ATM  
TM

PIP  
CTX  
IPM  
NET

CF  
FOX  
MOX  
AN

IMIPENEM

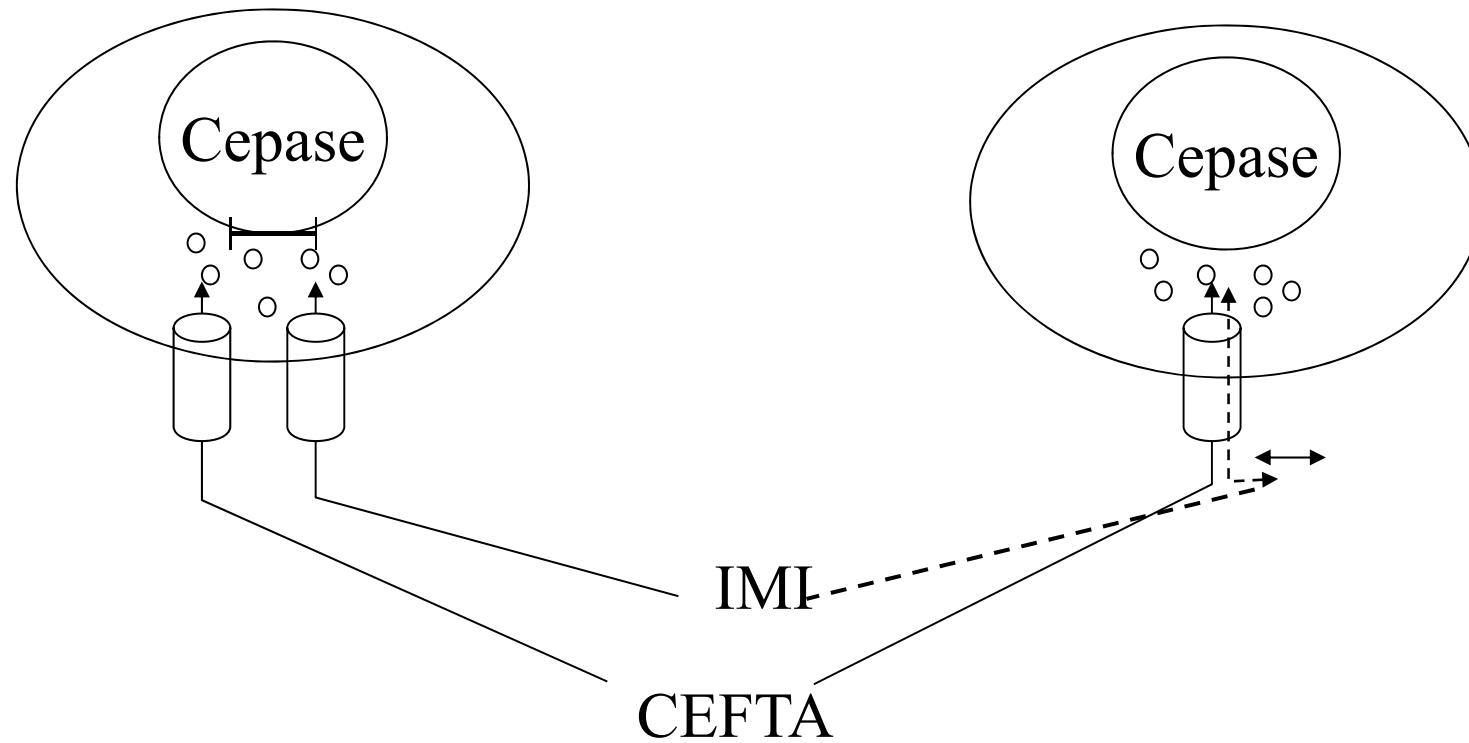
S

CEFTAZIDIME

S

R

S



20 % of the strains  
of *Pseudomonas aeruginosa*

Complete by susceptible (S), Intermediate (I) or Resistant (R)

the different phenotypes of resistance in *P. aeruginosa*

---

TIC	PIP	CAZ	AZT	IMP	
					Wild type
					Penicillinase
					Cephalosporinase hyperproducing
					Non enzymatic resistance (eflux)
					Loss of porin D2

# Phenotypes of resistance in *P. aeruginosa*

---

TIC	PIP	CAZ	AZT	IMP	
S	S	S	S	S	Wild type
R	R	S	S	S	Penicillinase
R	R	I/R	I/R	S	Cephalosporinase hyperproduced
I	S	S	I	S	Non enzymatic resistance (eflux)
S	S	S	S	I	Loss of porin D2

---

## Phenotypes of resistance in *P. aeruginosa*

MIC µg / ml

TIC	PIP	CAZ	AZT	IMP	
16	4	2	4	1	Wild type
512	512	4	8	2	Penicillinase
128	64	32	16	2	Cephalosporinase hyperproducing
64	16	4	16	1	Non enzymatic resistance
16	4	2	4	16	Loss of porin D2

# *Klebsiella pneumoniae*



Diapositive E. Carbonnelle

# Carbapénèmases dans le monde

## Classes

<b>A. NMC-A</b>	<u>France</u>	( <i>E. cloacae</i> )
<b>SME-1</b>	U.K	( <i>S. marcescens</i> )
<b>SME-2</b>	U.S.A	( <i>S. marcescens</i> )
<b>SME-3</b>	U.S.A	( <i>S. marcescens</i> )
<b>IMI-1</b>	U.S.A	( <i>E. cloacae</i> )
<b>KPC-1</b>	U.S.A	( <i>K. pneumoniae</i> )
<b>GSE-1</b>	South Africa	( <i>P. aeruginosa</i> )

## B.

<b>NDM1</b>	<u>Indes</u>	<i>E. coli</i>
<b>IMP-1</b>	Japon	
<b>IMP-2</b>	Italie	( <i>S. marcescens</i> )
<b>IMP3</b>	Chine	( <i>A. baumanii</i> )
<b>VIM-1</b>	Italie	( <i>P. aeru., K. pneumoniae</i> )
<b>VIM-2</b>	France	( <i>P. aeruginosa</i> )
<b>(épidémie)</b>	Italie Grèce	( <i>P. aeruginosa</i> )

## D. OXA

<u>Belgique</u>	
<u>Singapour</u>	
<u>Portugal</u>	
<u>France</u>	<i>A. baumanii, K. pneumoniae (OXA 48)</i>

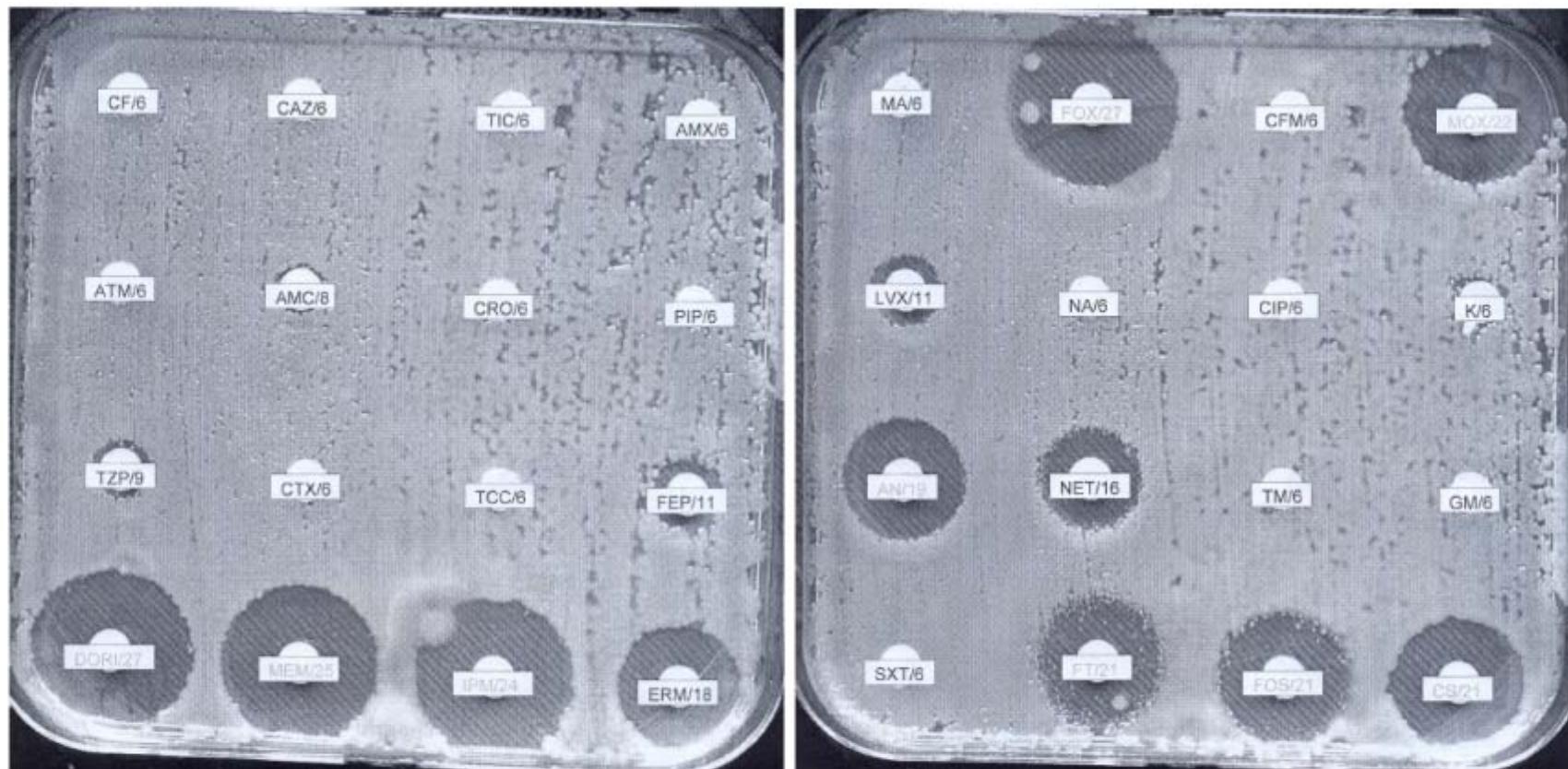
## *K. pneumoniae*, OXA48 (2)



Sur cloxacilline

Diapositive I. Podglajen, HEGP

## *K. pneumoniae*, OXA48 plus BLSE



Est-ce vrai ? :

- les *Bacteroides fragilis* sont toujours sensibles à l'imipénème ?
- les *Bacteroides fragilis* sont toujours sensibles au métronidazole ?
- les *Bacteroides fragilis* sont toujours sensibles à la clindamycine ?
- les *Bacteroides fragilis* sont généralement sensibles à l'amoxicilline ?

## % de Résistance chez *B. fragilis*

imipénème	< 1	%
métronidazole	0.5	%
clindamycine	30	%
amoxicilline	90	%
amox-clav; Pip-Taz	0 en 1980 / 10 à 15	
	% actuellement	